

iSeq 100

Guida del sistema di sequenziamento



Questo documento e il suo contenuto sono di proprietà di Illumina, Inc. e delle aziende ad essa affiliate ("Illumina") e sono destinati esclusivamente ad uso contrattuale da parte dei clienti di Illumina, per quanto concerne l'utilizzo dei prodotti qui descritti, con esclusione di qualsiasi altro scopo. Questo documento e il suo contenuto non possono essere usati o distribuiti per altri scopi e/o in altro modo diffusi, resi pubblici o riprodotti, senza previa approvazione scritta da parte di Illumina. Mediante questo documento, Illumina non trasferisce a terzi alcuna licenza ai sensi dei suoi brevetti, marchi, copyright, o diritti riconosciuti dal diritto consuetudinario, né diritti simili di alcun genere.

Al fine di assicurare un uso sicuro e corretto dei prodotti qui descritti, le istruzioni riportate in questo documento devono essere scrupolosamente ed esplicitamente seguite da personale qualificato e adeguatamente formato. Leggere e comprendere a fondo tutto il contenuto di questo documento prima di usare tali prodotti.

LA LETTURA INCOMPLETA DEL CONTENUTO DEL PRESENTE DOCUMENTO E IL MANCATO RISPETTO DI TUTTE LE ISTRUZIONI IN CONTENUTE POSSONO CAUSARE DANNI AL/I PRODOTTO/I, LESIONI PERSONALI A UTENTI E TERZI E DANNI MATERIALI E RENDERANNO NULLA QUALSIASI GARANZIA APPLICABILE AL/I PRODOTTO/I.

ILLUMINA NON SI ASSUME ALCUNA RESPONSABILITÀ DERIVANTE DALL'USO IMPROPRIO DEL/DEI PRODOTTO/I QUI DESCRITTI (INCLUSI SOFTWARE O PARTI DI ESSO).

© 2020 Illumina, Inc. Tutti i diritti riservati.

Tutti i marchi di fabbrica sono di proprietà di Illumina, Inc. o dei rispettivi proprietari. Per informazioni specifiche sui marchi di fabbrica, visitare la pagina Web www.illumina.com/company/legal.html.

Cronologia revisioni

Documento	Data	Descrizione della modifica
Documento n. 1000000036024 v07	Aprile 2020	Aggiunte le informazioni sul contenuto e sulla conservazione della confezione in formato da otto. Aggiornati i volumi della libreria e di RSB nelle istruzioni sulla diluizione.
Documento n. 1000000036024 v06	Aprile 2020	<p>Aggiornate le descrizioni del software a iSeq Control Software v1.2 che supporta iSeq 100 i1 Reagent v2.</p> <p>Sostituito iSeq 100 i1 Reagent con i seguenti kit:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Illumina n. di catalogo 20031371 per iSeq 100 i1 Reagent v2. • Illumina, n. di catalogo 20031374 per i reagenti iSeq 100 i1 Reagent v2 (confezione da quattro) <p>Aggiunte le informazioni sulla compatibilità del software e dei reagenti.</p> <p>Aggiunte le concentrazioni di caricamento per la cartuccia iSeq 100 i1 v2.</p> <p>Aggiunte le istruzioni sulla diluizione delle librerie Nextera XT DNA.</p> <p>Aggiunto il simbolo indicante il corretto orientamento di conservazione della cartuccia.</p> <p>Aumentato il tempo di scongelamento massimo da 2 °C a 8 °C della cartuccia a una settimana.</p> <p>Aumentato il numero di utilizzi dei componenti per il test riutilizzabili a 130.</p> <p>Aggiornata la raccomandazione dell'aggiunta di PhiX per le librerie a bassa diversità a 10%.</p> <p>Aggiornato il grafico per la descrizione della cartuccia iSeq 100 i1 v2.</p> <p>Aggiornate le istruzioni sull'installazione degli aggiornamenti del software per includere Registry Editor.</p> <p>Aggiornate le informazioni sullo Scambio avanzato:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Aggiunto un diagramma per mostrare una descrizione generale del processo. • Elencati i documenti necessari per completare la restituzione. • Chiarito come programmare un ritiro. • Annotato che i laboratori con livello di biosicurezza 2 e 3 potrebbero richiedere ulteriore contaminazione. <p>Spostati i requisiti delle password e le politiche di restrizione software (SRP) nella <i>Guida alla preparazione della sede di installazione per il sistema di sequenziamento iSeq 100 (documento n. 1000000035337)</i>.</p>

Documento	Data	Descrizione della modifica
Documento n. 1000000036024 v05	Marzo 2019	<p>Aggiornate le descrizioni del software a iSeq Control Software v1.4:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Aggiornate le istruzioni sulla configurazione delle impostazioni del sistema, inclusi spostamento e ridenominazione di alcuni elementi dell'interfaccia utente. • Aggiunte le descrizioni per le metriche %Clusters PF (% di cluster che attraversano il filtro) e %Occupancy (% presenza), che vengono visualizzate sulla schermata Sequencing (Sequenziamento). • Posizioni consentite delle unità di rete mappate per i fogli campioni e le cartelle degli output. • Indicato che il software rinomina automaticamente i fogli campioni in SampleSheet.csv. <p>Aggiunti i link alle pagine seguenti:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Modello del foglio campioni per il sistema iSeq 100 per la modalità Manual (Manuale). • Pagine di supporto del file di conversione bcl2fast. <p>Aggiunti i volumi di 1 nM per PhiX al 100% e le librerie AmpliSeq Library PLUS for Illumina da preparare.</p> <p>Aggiunte le istruzioni per spostare il repository dei genomi di riferimento per Local Run Manager in una posizione che non sia l'unità C quando si ripristina lo strumento alle impostazioni di fabbrica.</p> <p>Aumentato il numero di cicli raccomandato per Index Read 1 (Lettura indici 1) e Index Read 2 (Lettura indici 2) a 10 cicli ciascuna.</p> <p>Aumentato il numero di cicli che supporta la cartuccia a 322.</p> <p>Fatto riferimento a <i>Cluster Density Optimization Guide (documento n. 1000000071511)</i> (Guida all'ottimizzazione della densità dei cluster) per informazioni dettagliate su come ottimizzare la concentrazione di caricamento.</p>
Documento n. 1000000036024 v05	Marzo 2019	<p>Chiarito che prima di scongelare una cartuccia in un bagno d'acqua, questa deve essere conservata a una temperatura compresa tra -25 °C e -15 °C per almeno un giorno.</p> <p>Corretto Library PLUS AmpliSeq for Illumina in AmpliSeq Library PLUS for Illumina.</p>

Documento	Data	Descrizione della modifica
Documento n. 1000000036024 v04	Ottobre 2018	<p>Aggiunte le concentrazioni di caricamento e le istruzioni di diluizione raccomandate per le librerie Nextera DNA Flex for Enrichment, TruSeq DNA Nano e TruSeq DNA PCR-Free.</p> <p>Aggiunte le informazioni sull'utilizzo di un metodo di normalizzazione che non risulti in librerie a singolo filamento.</p> <p>Aggiunte le descrizioni dei due metodi di analisi, Local Run Manager e Manual (Manuale).</p> <p>Aggiunta un'opzione per aggiungere PhiX al 5% e definito lo scopo di ciascuna percentuale di aggiunta.</p> <p>Aggiunte le seguenti fasi:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Passaggio all'account del sistema operativo sbsadmin quando si installa il software di controllo, i moduli di analisi e altri software. • Accensione e spegnimento dello strumento quando si ripristinano le impostazioni di fabbrica. <p>Indicato <i>Illumina Adapter Sequences (documento n. 1000000002694)</i> (Sequenze adattatori Illumina) come riferimento per determinare gli orientamenti di Index 2 (i5) (Indice 2 - i5) per un foglio campioni.</p> <p>Chiariti i seguenti punti:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Le cartucce devono essere utilizzate immediatamente dopo lo scongelamento. • Le concentrazioni di caricamento elencate per le librerie Nextera DNA Flex e Nextera Flex for Enrichment non sono applicabili ad altri tipi di librerie Nextera. • SureCell WTA 3' non è una libreria compatibile.
Documento n. 1000000036024 v03	Agosto 2018	<p>Aggiornate le descrizioni del software a iSeq Control Software v1.3:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Aggiunte le istruzioni di configurazione per Universal Copy Service. • Rinominata la scheda Network Configuration (Configurazione della rete) in Network Access (Accesso alla rete). • Aggiunte le istruzioni per aprire Local Run Manager dal software di controllo. <p>Aggiornata la posizione predefinita della cartella degli output in D:\SequencingRuns.</p> <p>Aggiunte le istruzioni sulla connessione del sistema a un server proxy.</p> <p>Aggiunti i requisiti per indicare un percorso UNC, sulla rete, per le posizioni della cartella degli output e dei fogli campioni.</p> <p>Indicati i requisiti univoci per la configurazione di una posizione della cartella degli output su un disco interno, un disco esterno o una posizione sulla rete.</p> <p>Rese le istruzioni sulla creazione di un foglio campioni per la modalità Manual (Manuale) come primo passaggio dell'impostazione della corsa.</p> <p>Corrette le istruzioni sull'utilizzo della creazione guidata per l'installazione di System Suite.</p> <p>Corretta la descrizione dei file di output delle immagini in miniatura (thumbnail).</p>

Documento	Data	Descrizione della modifica
Documento n. 1000000036024 v02	Giugno 2018	<p>Aggiornate le provette utilizzate per la diluizione delle librerie a Fisher Scientific n. di catalogo 14-222-158 o provette equivalenti a bassa capacità legante.</p> <p>Aggiunta una sezione che descrive la disponibilità regionale per lo scambio avanzato.</p> <p>Chiarito che le librerie diluite alla concentrazione di caricamento devono essere sequenziate lo stesso giorno.</p> <p>Chiarito che la cartuccia di reagenti deve essere rimossa dalla scatola per lo scongelamento.</p>
Documento n. 1000000036024 v01	Maggio 2018	<p>Aggiornate le descrizioni del software a iSeq Control Software v1.2:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Aggiornata l'opzione per cercare un installer del software scaricato dal software di controllo. • Aggiunte le istruzioni per il salvataggio delle immagini in miniatura (thumbnail). • Spostate le impostazioni della rete nella scheda Network Configuration (Configurazione della rete). • Aumentato il numero massimo di riutilizzi per i componenti per il test riutilizzabili a 36 e annotato che il numero di utilizzi rimanenti viene visualizzato sullo schermo. <p>Aggiornate le informazioni per Local Run Manager:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Aggiunte le fasi per l'apertura di Local Run Manager e l'impostazione della corsa. • Aggiunto RNA Amplicon come un modulo di analisi preinstallato e DNA Enrichment e Resequencing come altri moduli supportati. • Aggiornati i riferimenti della documentazione a <i>Local Run Manager Software Guide (documento n. 1000000002702)</i> (Guida al software Local Run Manager). <p>Aggiornate le istruzioni per lo scongelamento della cartuccia:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Aggiunta un'opzione di scongelamento a temperatura ambiente. • Fornite istruzioni più dettagliate per il bagno d'acqua, inclusa la conservazione prima dello scongelamento. <p>Aggiornate le istruzioni sulla preparazione delle librerie per il sequenziamento:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Aggiornata la concentrazione di caricamento di Nextera DNA Flex a 200 pM. • Aggiunta la concentrazione di caricamento iniziale per i tipi di librerie non elencate. • Aggiunte le informazioni sulla metrica %Occupied (%presenza). • Aumentato il volume di 1 nM di PhiX per un'aggiunta a 50 µl. <p>Aggiornati i numeri di catalogo Illumina per:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Tappetino del vassoio raccogliocce di ricambio iSeq 100 a 20023927. • Filtro dell'aria di ricambio iSeq 100 a 20023928. <p>Aggiornate le raccomandazioni per le pipette e le punte per pipette.</p> <p>Aggiunte le seguenti istruzioni:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Esecuzione di corse di convalida. • Creazione di un foglio campioni quando si esegue il sequenziamento in modalità Manual (Manuale). • Riduzione a icona del software di controllo per accedere ad altre applicazioni.

Documento	Data	Descrizione della modifica
		<p>Aggiunti i seguenti passaggi alla procedura di verifica del sistema:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Scaricamento e conservazione dei componenti per il test riutilizzabili. • Pulizia di residui visibili dalla cella a flusso per il test riutilizzabile. <p>Riorganizzato il seguente contenuto per migliorare la continuità:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Unite le istruzioni per eseguire una corsa solo con PhiX con le istruzioni per il sequenziamento standard. • Unite le istruzioni per la preparazione della cella a flusso con le istruzioni per la diluizione delle librerie. • Consolidate le istruzioni per l'aggiunta di PhiX. • Spostate le informazioni sul numero di cicli in una lettura. • Spostato <i>Real-Time Analysis</i> e rinominato in <i>Output di sequenziamento</i>. <p>Semplificato il diagramma dei messaggi di errore del flusso di lavoro. Rimosse le informazioni per le modalità Tablet e Desktop. Il sistema operativo viene eseguito in modalità Desktop per impostazione predefinita e la modalità Tablet non è necessaria. Rimossi i requisiti per completare e restituire un certificato di decontaminazione per lo scambio avanzato. Corretta la dimensione media di una corsa a 2 GB.</p>
Documento n. 1000000036024 v00	Febbraio 2018	Versione iniziale.

Sommario

Capitolo 1 Descrizione generale	1
Introduzione	1
Risorse aggiuntive	2
Componenti dello strumento	3
iSeq 100 i1 Reagent	7
Capitolo 2 Informazioni preliminari	11
Impostazione iniziale	11
Riduzione a icona del software di controllo	11
Impostazioni della corsa	12
Personalizzazione dello strumento	15
Impostazione della rete	16
Apparecchiature e materiali di consumo forniti dall'utente	18
Capitolo 3 Sequenziamento	20
Introduzione	20
Scongelamento della cartuccia nella sua confezione	21
Preparazione della cella a flusso e delle librerie	22
Caricamento dei materiali di consumo nella cartuccia	24
Impostazione di una corsa di sequenziamento - Local Run Manager	26
Impostazione di una corsa di sequenziamento - modalità Manual (Manuale)	29
Capitolo 4 Manutenzione	34
Liberazione di spazio su disco rigido	34
Aggiornamenti del software	34
Sostituzione del filtro dell'aria	36
Riposizionamento dello strumento	37
Appendice A Output di sequenziamento	40
Descrizione generale di Real-Time Analysis	40
Flusso di lavoro di Real-Time Analysis	42
Appendice B Risoluzione dei problemi	46
Risoluzione dei messaggi di errore	46
Annullamento di una corsa avviata	47
Spegnimento e riaccensione dello strumento	47
Esecuzione di una verifica del sistema	48
Limitazione delle perdite	50
Ripristino alle impostazioni di fabbrica	52
Appendice C Scambio avanzato	54
Introduzione	54

Ricezione di un sistema sostitutivo	54
Preparazione del sistema originario per la restituzione	55
Restituzione del sistema originario	58
Indice	62
Assistenza Tecnica	68

Capitolo 1 Descrizione generale

Introduzione	1
Risorse aggiuntive	2
Componenti dello strumento	3
iSeq 100 i1 Reagent	7

Introduzione

Il sistema di sequenziamento iSeq™ 100 Illumina® fornisce un approccio mirato al sequenziamento di nuova generazione (Next-Generation Sequencing, NGS). Questo sistema basato sulle applicazioni offre la tecnologia di sequenziamento Illumina in uno strumento da banco efficace in termini di costi.

Caratteristiche

- ▶ **Accessibilità e affidabilità:** il sistema iSeq 100 ha un ingombro ridotto ed è facile da installare e utilizzare. I componenti della fluidica e del sistema di imaging sono integrati nel materiale di consumo, semplificando così la manutenzione dello strumento.
- ▶ **Un solo passaggio per caricare i materiali di consumo:** una cartuccia monouso è pre-riempita con tutti i reagenti necessari per una corsa. La libreria e una cella a flusso dotata di sensori possono essere caricate direttamente sulla cartuccia, che a sua volta viene caricata sullo strumento. L'identificazione integrata consente il monitoraggio accurato.
- ▶ **Software del sistema iSeq 100:** una serie di software integrati controlla il funzionamento dello strumento, elabora le immagini e genera le identificazioni delle basi. Questa serie di software consente l'analisi dei dati integrata sullo strumento e offre strumenti per il trasferimento dei dati per l'analisi esterna.
 - ▶ **Analisi integrata sullo strumento:** Local Run Manager immette le informazioni sui campioni, quindi analizza i dati della corsa utilizzando il modulo di analisi specificato per la corsa. Il software include una serie di moduli di analisi.
 - ▶ **Analisi basata sul cloud:** il flusso di lavoro di sequenziamento è integrato con BaseSpace Sequence Hub, l'ambiente di calcolo Illumina per il monitoraggio della corsa, l'analisi dei dati, l'archiviazione e la collaborazione. I file di output sono trasferiti in tempo reale a BaseSpace Sequence Hub per l'analisi.

Dal campione all'analisi

Il diagramma seguente illustra l'intero flusso di lavoro di sequenziamento, dalla progettazione dell'esperimento fino ai dati dell'analisi. Gli strumenti e la documentazione sono inclusi in ciascun passaggio. Questa guida copre la fase di sequenziamento delle librerie. Per altra documentazione, visitare la pagina Web support.illumina.com.

Figura 1 Flusso di lavoro dal campione all'analisi



Risorse aggiuntive

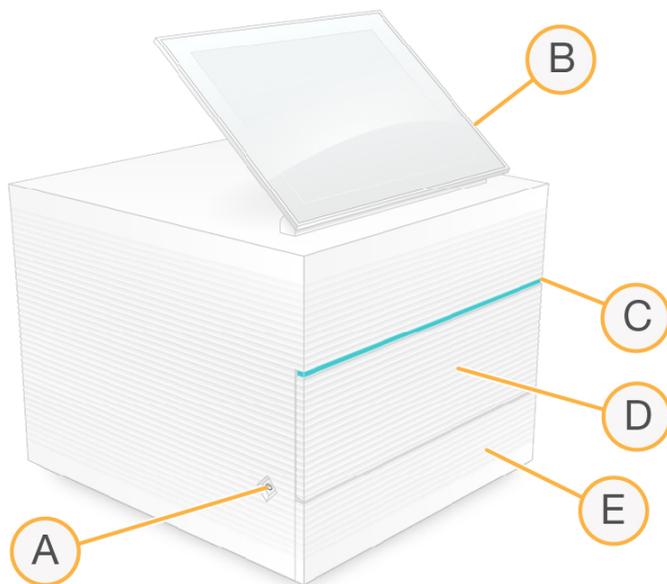
Le [pagine di supporto del sistema di sequenziamento iSeq 100](#) sul sito Web Illumina forniscono risorse aggiuntive su software, formazione, prodotti compatibili e la seguente documentazione. Controllare sempre le pagine di supporto per verificare le ultime versioni disponibili.

Risorsa	Descrizione
Custom Protocol Selector	Uno strumento per la generazione di istruzioni end-to-end specifiche per il metodo di preparazione delle librerie, i parametri della corsa e il metodo di analisi prescelti, con opzioni per perfezionare il livello dei dettagli.
Poster per l'impostazione del sistema di sequenziamento iSeq 100 (documento n. 1000000035963)	Fornisce istruzioni per l'installazione dello strumento e l'avvio dell'impostazione iniziale.
Guida alla preparazione della sede di installazione per il sistema di sequenziamento iSeq 100 (documento n. 1000000035337)	Fornisce le specifiche relative ai locali del laboratorio, i requisiti elettrici, ambientali e di rete.
Guida alla sicurezza e alla conformità del sistema di sequenziamento iSeq 100 (documento n. 1000000035336)	Fornisce informazioni relative agli aspetti di sicurezza del funzionamento, alle dichiarazioni di conformità e alle etichette dello strumento.
Guida alla conformità del modulo del lettore RFID (documento n. 100000002699)	Fornisce informazioni sul lettore RFID contenuto nello strumento, incluse le certificazioni di conformità e le considerazioni relative alla sicurezza.

Componenti dello strumento

Il sistema di sequenziamento iSeq 100 comprende un pulsante di accensione, un monitor, una barra di stato, uno scomparto dei materiali di consumo e un vassoio raccogliogocce.

Figura 2 Componenti esterni del sistema



- A **Pulsante di accensione:** controlla l'alimentazione dello strumento e indica se il sistema è acceso (luminoso), spento (nero) oppure spento ma in alimentazione c.a. (lampeggia).
- B **Monitor touch screen:** consente la configurazione e l'impostazione della corsa integrate sullo strumento utilizzando l'interfaccia del software di controllo.
- C **Barra di stato:** indica lo stato del sistema come pronto per il sequenziamento (verde), in elaborazione (blu) o necessità di attenzione (arancione).
- D **Scomparto dei materiali di consumo:** contiene i materiali di consumo durante una corsa.
- E **Sportello del vassoio raccogliogocce:** consente di accedere al vassoio raccogliogocce, che raccoglie eventuali perdite di fluidi.

Alimentazione e connessioni ausiliarie

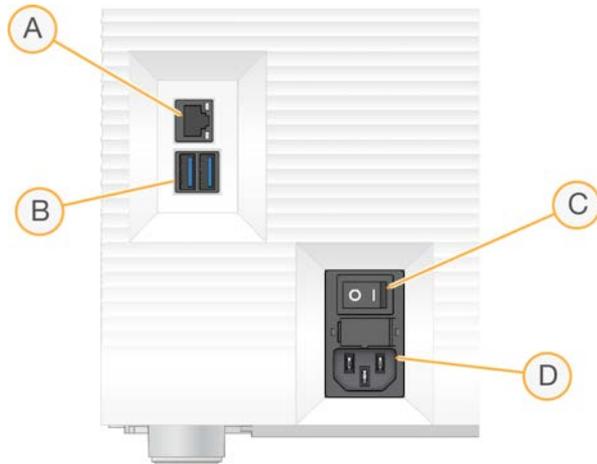
È possibile spostare lo strumento per accedere alle porte USB e altri componenti del pannello posteriore. La parte posteriore dello strumento presenta un interruttore e una presa che controlla l'alimentazione allo strumento nonché una porta Ethernet per una connessione Ethernet facoltativa. Le due porte USB consentono di collegare un mouse e una tastiera, oppure di caricare e scaricare i dati utilizzando un dispositivo portatile.



NOTA

La connessione del sistema a una tastiera e a un mouse sovrascrive la tastiera sullo schermo.

Figura 3 Componenti del pannello posteriore

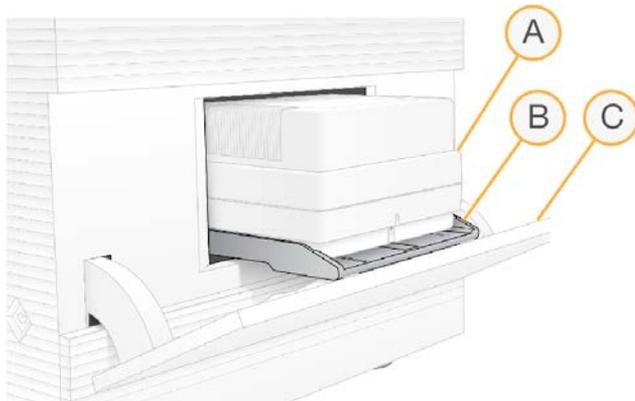


- A **Porta Ethernet:** connessione facoltativa del cavo Ethernet.
- B **Porte USB:** due porte per collegare i componenti ausiliari.
- C **Pulsante:** accende e spegne lo strumento.
- D **Presa di alimentazione c.a.:** connessione del cavo di alimentazione.

Scomparto dei materiali di consumo

Lo scomparto dei materiali di consumo contiene la cartuccia per una corsa di sequenziamento.

Figura 4 Scomparto dei materiali di consumo caricato



- A **Cartuccia:** contiene la cella a flusso, la libreria, i reagenti e raccoglie i reagenti usati durante la corsa.
- B **Vassoio:** alloggia la cartuccia durante il sequenziamento.
- C **Sportello:** si apre a un angolo di 60 gradi e consente di accedere allo scomparto dei materiali di consumo.

Il software apre e chiude lo sportello dello scomparto e posiziona la cartuccia per l'imaging. Lo sportello si apre dalle cerniere verso la base dello strumento. Non posizionare oggetti sullo sportello aperto, in quanto non è stato progettato per essere utilizzato come uno scaffale.

Cartuccia per il test e cella a flusso per il test riutilizzabili

Lo strumento viene spedito con una cella flusso per il test riutilizzabile iSeq 100 e una cartuccia per il test riutilizzabile iSeq 100 da usare per le verifiche del sistema. Conservare nella confezione originaria a temperatura ambiente e utilizzare per un massimo di 130 volte. Durante una verifica del sistema, il software visualizza il numero di utilizzi restanti.

Figura 5 Componenti per il test riutilizzabili



- A Cella a flusso per il test riutilizzabile
- B Cartuccia per il test riutilizzabile

I componenti per il test riutilizzabili sono simili ai componenti per il sequenziamento forniti in iSeq 100 i1 Reagent v2 e gli orientamenti per il caricamento sono gli stessi. Tuttavia, la cartuccia per il test non dispone di un serbatoio per la libreria e nessuno dei componenti per il test dispone della chimica necessaria per una corsa.

I componenti per il test riutilizzabili scadono dopo cinque anni dalla data di fabbricazione. Sostituire i componenti per il test riutilizzabili scaduti o che hanno raggiunto il numero massimo di utilizzi con iSeq 100 System Test Kit.

Software del sistema

Il gruppo di software del sistema comprende applicazioni integrate che eseguono le corse di sequenziamento e l'analisi integrata sullo strumento.

- ▶ **iSeq Control Software:** controlla il funzionamento dello strumento e fornisce un'interfaccia per la configurazione del sistema, l'impostazione di una corsa di sequenziamento e il monitoraggio delle statistiche della corsa durante il sequenziamento.
- ▶ **Local Run Manager:** definisce i parametri della corsa e il metodo di analisi prima del sequenziamento. Dopo il sequenziamento, l'analisi dei dati integrata sullo strumento si avvia automaticamente.
 - ▶ Il sistema è spedito con i moduli di analisi installati DNA Amplicon, RNA Amplicon e Generate FASTQ.
 - ▶ Il sistema supporta anche i moduli di analisi DNA Enrichment e Resequencing, che sono disponibili sulle [pagine di supporto di Local Run Manager](#).
 - ▶ Per maggiori informazioni su Local Run Manager e sui moduli di analisi, vedere *Local Run Manager Software Guide (documento n. 1000000002702)* (Guida del software Local Run Manager).
- ▶ **Real-Time Analysis (RTA2):** esegue l'analisi delle immagini e l'identificazione delle basi durante la corsa. Per maggiori informazioni, vedere [Output di sequenziamento a pagina 40](#).
- ▶ **Universal Copy Service:** copia i file di output del sequenziamento dalla cartella della corsa a BaseSpace Sequence Hub (se necessario) e alla cartella degli output, fruibile dall'utente.

Real-Time Analysis e Universal Copy Service eseguono solo processi in background. Local Run Manager e il software di controllo possono richiedere input dell'utente.

Informazioni del sistema

Il menu del software di controllo presenta una sezione About (Informazioni su) in cui è possibile visualizzare le informazioni di contatto di Illumina e le seguenti informazioni del sistema:

- ▶ Numero di serie
- ▶ Nome computer e indirizzi IP
- ▶ Versione dei frammenti per la ricetta
- ▶ Conteggio delle corse

Notifiche e allerte

Le notifiche sono indicate sotto forma di icone e visualizzate accanto al nome dello strumento. Selezionare l'icona per visualizzare un elenco delle notifiche, che include avvertenze ed errori.

- ▶ Le avvertenze richiedono attenzione, ma non arrestano una corsa e richiedono solo la presa visione.
- ▶ Gli errori richiedono un'azione prima di poter avviare o procedere con una corsa.

Un pannello sul lato sinistro delle schermata per l'impostazione della corsa visualizza le allerte specifiche per il caricamento della cartuccia e per le verifiche pre-corsa.

Figura 6 Posizioni sullo schermo



- A Allerte per l'impostazione della corsa
- B Altre notifiche

Schermata Process Management (Gestione processo)

La schermata Process Management (Gestione processo) visualizza lo spazio sul disco rigido (unità D) e lo stato della corsa, identificando ogni corsa in base al nome, all'ID e alla data. La schermata viene aggiornata automaticamente ogni tre minuti.

La colonna Status (Stato) indica se una corsa è in fase di elaborazione o completata, in base all'elaborazione dei file BCL. Per ogni corsa, Process Management (Gestione processo) visualizza anche lo stato dei processi eseguiti in background di Universal Copy Service, BaseSpace Sequence Hub e Local Run Manager.

I processi non applicabili non vengono visualizzati sullo schermo. Ad esempio, se una corsa non è collegata a BaseSpace Sequence Hub, la schermata Process Management (Gestione processo) non visualizza lo stato di BaseSpace per quella corsa.

- ▶ Per risolvere eventuali problemi di stato, vedere *Stato di Process Management (Gestione processo)* a pagina 46.

- ▶ Per eliminare le corse e liberare lo spazio, vedere *Liberazione di spazio su disco rigido* a pagina 34.

Stato di Universal Copy Service

Universal Copy Service mostra lo stato dei file copiati nella cartella degli output:

- ▶ **In Progress** (In corso): Universal Copy Service sta copiando i file nella cartella degli output.
- ▶ **Complete** (Completato): Universal Copy Service ha copiato tutti i file nella cartella degli output.

Stato di BaseSpace Sequence Hub

BaseSpace Sequence Hub mostra lo stato del caricamento:

- ▶ **In Progress** (In corso): il software di controllo sta caricando i file in BaseSpace Sequence Hub.
- ▶ **Complete** (Completato): il software di controllo ha caricato correttamente tutti i file in BaseSpace Sequence Hub.

Stato di Local Run Manager

Local Run Manager mostra lo stato dell'analisi nel software di controllo:

- ▶ **Not Started** (Non avviata): l'analisi è in coda per essere avviata o Local Run Manager sta attendendo che Real-Time Analysis abbia terminato.
- ▶ **In Progress** (In corso): Local Run Manager sta analizzando i file. Controllare il software di Local Run Manager per ottenere uno stato più dettagliato.
- ▶ **Stopped** (Arrestata): l'analisi è stata arrestata, ma è incompleta.
- ▶ **Complete** (Completata): Local Run Manager ha completato correttamente l'analisi.

Per maggiori informazioni sullo stato dell'analisi, controllare il software di Local Run Manager.

iSeq 100 i1 Reagent

L'esecuzione di una corsa sul sistema iSeq 100 richiede un kit di reagenti monouso iSeq 100 i1 Reagent v2. Il kit è disponibile in una dimensione (300 cicli) e tre confezioni:

- ▶ **Confezione singola:** fornisce i materiali di consumo per una corsa.
- ▶ **Confezione da quattro:** fornisce i materiali di consumo per quattro corse.
- ▶ **Confezione da otto:** fornisce i materiali di consumo per otto corse.

Contenuto e conservazione

iSeq 100 i1 Reagent v2 fornisce la cartuccia e la cella a flusso per il sequenziamento.

Confezione	Quantità	Componente	Temperatura di conservazione
Confezione singola	1	Cartuccia	tra -25 °C e -15 °C
	1	Cella a flusso	tra 2 °C e 8 °C*
Confezione da quattro	4	Cartuccia	tra -25 °C e -15 °C
	4	Cella a flusso	tra 2 °C e 8 °C*
Confezione da otto	8	Cartuccia	tra -25 °C e -15 °C
	8	Cella a flusso	tra 2 °C e 8 °C*

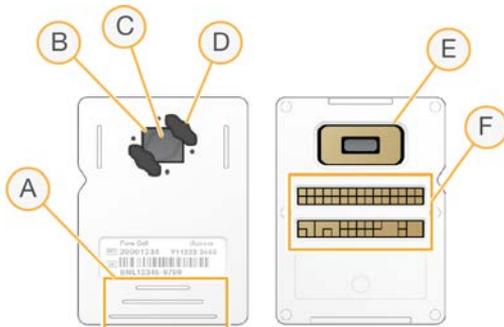
* Spedito a temperatura ambiente.

Alla ricezione di iSeq 100 i1 Reagent v2, conservare immediatamente i componenti alle appropriate condizioni di conservazione per assicurare prestazioni corrette:

- ▶ Conservare alle temperature indicate.
- ▶ Non aprire la confezione sigillata bianca fino al momento dell'uso. La cartuccia viene scongelata nella confezione.
- ▶ **Posizionare le cartucce con l'etichetta della confezione rivolta verso l'alto.**
- ▶ Conservare la cartuccia per almeno un giorno prima di scongelarla in un bagno d'acqua.

Cella a flusso

La cella a flusso iSeq 100 i1 è una cella a flusso patterned (preconfigurata), dotata di singola corsia e costruita su un sensore ottico dotato della tecnologia dei semiconduttori complementari a ossido di metallo (Complementary Metal Oxide Semiconductor, CMOS). Una cartuccia in plastica racchiude la cella a flusso fabbricata in vetro. Sulla struttura in plastica sono presenti protuberanze per manipolare correttamente la cartuccia.



- A Protuberanze
- B Sensore CMOS (vista dall'alto)
- C Area di imaging
- D Guarnizione (una di due)
- E Sensore CMOS (vista dal basso)
- F Interfaccia elettrica

La superficie della cella a flusso è ricoperta da milioni di nanopozzetti. I cluster sono generati nei nanopozzetti, dai quali viene eseguita la reazione di sequenziamento. La struttura ordinata dei nanopozzetti aumenta le letture di output e i dati. Durante il sequenziamento, il sensore CMOS cattura le immagini per l'analisi.

Per garantire la compatibilità e il monitoraggio, la cella a flusso utilizza un'interfaccia elettrica: memoria di sola lettura programmabile e cancellabile elettricamente (Electrically Erasable Programmable Read-Only Memory, EEPROM).

Cartuccia

La cartuccia iSeq 100 i1 è pre-riempita con i reagenti per la generazione dei cluster, i reagenti per il sequenziamento, i reagenti paired-end e i reagenti di indicizzazione. Per le librerie è riservato un serbatoio sigillato e per la cella a flusso è riservata una slot nella parte anteriore. Il fascio luminoso dell'illuminatore raggiunge la cella a flusso mediante una finestra di accesso nella parte superiore della cartuccia.



- A Finestra di accesso
- B Slot della cella a flusso
- C Serbatoio per la libreria

La cartuccia alloggia tutti i materiali di consumo necessari per una corsa: reagenti, libreria e cella a flusso. La libreria e la cella a flusso sono caricate nella cartuccia scongelata, che viene quindi caricata sullo strumento. L'identificazione a radio frequenza (RFID) assicura la compatibilità e il monitoraggio.

Dopo l'avvio della corsa, i reagenti e la libreria sono automaticamente trasferiti dalla cartuccia alla cella a flusso. Un recipiente sottostante raccoglie i reagenti usati. La cartuccia contiene anche le pompe, le valvole e tutta la fluidica per il sistema. Poiché la cartuccia viene smaltita dopo una corsa, non sono necessari i lavaggi dello strumento.

Compatibilità software

Prima di scongelare i reagenti e impostare una corsa, assicurarsi che il sistema sia aggiornato alla versione software compatibile con il kit in uso. Per informazioni sugli aggiornamenti, vedere [Aggiornamenti del software a pagina 34](#).

Kit	Software compatibile
iSeq 100 i1 Reagent v2	iSeq Control Software v2.0, o successivo
iSeq 100 i1 Reagent (v1)	iSeq Control Software v1.2, o successivo

Numero di cicli supportato

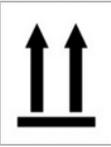
L'etichetta 300 cicli sulla cartuccia indica quanti cicli sono analizzati, non quanti cicli sono eseguiti. La cartuccia fornisce quindi reagenti sufficiente per un massimo di 322 cicli di sequenziamento.

I 322 cicli includono 151 cicli per Read 1 (Lettura 1) e Read 2 (Lettura 2), oltre a 10 cicli ciascuno per Index 1 (Indice 1) e Index 2 (Indice 2). Per informazioni su quanti cicli sequenziare, vedere [Numero di cicli raccomandato a pagina 21](#).

La cella a flusso è compatibile con qualsiasi numero di cicli e tipo di lettura.

Descrizione dei simboli

La seguente tabella descrive i simboli presenti sui materiali di consumo o sulla confezione dei materiali di consumo.

Simbolo	Descrizione
	Indica quale lato deve essere rivolto verso l'alto per la conservazione.
	La data di scadenza del materiale di consumo. Per ottenere i risultati migliori, utilizzare i materiali di consumo prima di questa data.
	Indica il fabbricatore (Illumina).
	La data in cui è stato fabbricato il materiale di consumo.
	L'uso previsto è solo a uso di ricerca (Research Use Only, RUO).
	Indica il numero di codice per identificare il materiale di consumo.*
	Indica il codice del batch per identificare il batch o il lotto in cui è stato fabbricato il materiale di consumo.*
	Indica che è necessario prestare attenzione.
	Indica un pericolo per la salute.
	Intervallo della temperatura di conservazione in gradi Celsius. Conservare i materiali di consumo entro l'intervallo indicato.

* REF identifica il singolo componente, mentre LOT identifica il lotto o il batch a cui appartiene il componente.

Capitolo 2 Informazioni preliminari

Impostazione iniziale	11
Riduzione a icona del software di controllo	11
Impostazioni della corsa	12
Personalizzazione dello strumento	15
Impostazione della rete	16
Apparecchiature e materiali di consumo forniti dall'utente	18

Impostazione iniziale

Quando in sistema viene acceso per la prima volta, viene lanciato il software di controllo che visualizza una serie di schermate per guidare l'utente nella procedura d'impostazione iniziale. L'impostazione iniziale include l'esecuzione di una verifica del sistema per confermare le prestazioni dello strumento e per configurare le impostazioni del sistema.

Se si desidera modificare le impostazioni del sistema dopo l'impostazione iniziale, selezionare il comando System Settings (Impostazioni di sistema) nel software di controllo. Il comando apre le schede Settings (Impostazioni), Network Access (Accesso alla rete) e Customization (Personalizzazione) dove è possibile accedere a tutte le impostazioni del software di controllo e alle impostazioni di rete di Windows.

Account del sistema operativo

Il sistema operativo di Windows presenta due account: amministratore (sbsadmin) e utente (sbsuser). Il sistema operativo richiede una modifica della password per entrambi gli account al primo accesso.

L'account di amministratore è previsto per l'utilizzo da parte del personale informatico, per gli aggiornamenti di sistema e per l'installazione del software di controllo, dei moduli di analisi di Local Run Manager e di altri software. Eseguire tutte le altre funzioni, incluso il sequenziamento, dall'account utente.

Corse di convalida

Facoltativamente, eseguire una corsa di convalida prima di sequenziare le librerie dell'esperimento per la prima volta. Una corsa di convalida sequenzia PhiX al 100%, che funziona come una libreria di controllo, per confermare il funzionamento del sistema. Per istruzioni, vedere [Sequenziamento a pagina 20](#).

Riduzione a icona del software di controllo

Ridurre a icona il software di controllo per accedere ad altre applicazioni. Ad esempio, per cercare la cartella degli output in File Explorer (Esplora file) o trovare un foglio campioni.

- 1 Sfiocare verso l'alto su touch screen per aprire la barra delle applicazioni di Windows.
- 2 Selezionare l'icona **iSeq 100 System** (Sistema iSeq 100) o un'altra applicazione. Il software di controllo viene ridotto a icona.
- 3 **[Facoltativo]** Collegare una tastiera e un mouse allo strumento per semplificare la navigazione e la digitazione al di fuori del software di controllo.
- 4 Per ingrandire il software di controllo, sfiorare verso l'alto e selezionare **iSeq 100 System** (Sistema iSeq 100).

Impostazioni della corsa

Configurare le impostazioni per l'impostazione della corsa, il monitoraggio della corsa e l'analisi dei dati sulla scheda Settings (Impostazioni) in System Settings (Impostazioni di sistema). Questa scheda visualizza le impostazioni rapide raccomandate che possono essere applicate selezionando l'opzione di impostazione rapida. Oppure, selezionare l'opzione di impostazione manuale per personalizzare le impostazioni.

La scelta delle impostazioni rapide si applica alle impostazioni seguenti e invia i file InterOp, i file di registro, i dati delle prestazioni dello strumento e i dati della corsa a BaseSpace Sequence Hub:

- ▶ **Illumina Proactive Support** (Supporto proattivo Illumina): semplifica la risoluzione dei problemi e rileva potenziali malfunzionamenti, consentendo la manutenzione proattiva e massimizzando i tempi di fermo dello strumento. L'attivazione di Illumina Proactive Support (Supporto proattivo Illumina) consente di inviare i dati delle prestazioni dello strumento (non i dati del sequenziamento) a BaseSpace Sequence Hub. Per maggiori informazioni, vedere *Illumina Proactive Technical Note (document # 1000000052503)* (Nota tecnica sul servizio proattivo Illumina).
- ▶ **Local Run Manager**: il software Local Run Manager offre un flusso di lavoro semplice e ottimizzato per creare corse e analizzare i dati delle corse. Non sono necessari foglio campioni e applicazioni di analisi separati.
- ▶ **Remote Run Monitoring** (Monitoraggio della corsa a distanza): utilizza BaseSpace Sequence Hub per il monitoraggio della corsa a distanza.
- ▶ **Run Analysis, Collaboration, and Storage** (Analisi della corsa, collaborazione e archiviazione): utilizza BaseSpace Sequence Hub per archiviare e analizzare i dati delle corse e collaborare con i colleghi.



NOTA

Local Run Manager avvia automaticamente l'analisi al completamento della corsa. Tuttavia, è possibile analizzare i dati anche in BaseSpace Sequence Hub.

Applicazione delle impostazioni veloci

La funzione di impostazione veloce sostituisce le attuali impostazioni della corsa con impostazioni della corsa raccomandate e impostazioni localizzate da utilizzare per BaseSpace Sequence Hub. Tali impostazioni richiedono una connessione Internet e un account BaseSpace Sequence Hub. Per istruzioni su come impostare un account, vedere *BaseSpace Sequence Hub Online Help (documento n. 1000000009008)* (Guida online di BaseSpace Sequence Hub).

- 1 Dal menu del software di controllo, selezionare **System Settings** (Impostazioni di sistema).
- 2 Dalla scheda Settings (Impostazioni), selezionare **Use Express Settings** (Utilizza impostazioni veloci).
- 3 Nell'elenco Set Region (Imposta regione), selezionare la posizione geografica in cui si trova il sistema o la posizione più vicina al luogo in cui si trova il sistema.
Questa impostazione assicura che i dati siano archiviati nella posizione geografica corretta per BaseSpace Sequence Hub.
- 4 Se si dispone di un abbonamento Enterprise, nel campo Enter Private Domain (Immetti dominio privato), immettere il nome del dominio (URL) utilizzato per l'identificazione unica (Single sign-on, SSO) su BaseSpace Sequence Hub.
Ad esempio: <https://yourlab.basespace.illumina.com>.
- 5 Selezionare **Next** (Avanti).

- 6 Rivedere le impostazioni. Per modificare un'impostazione:
 - a Selezionare **Edit** (Modifica) per aprire l'impostazione.
 - b Modificare l'impostazione come desiderato, quindi selezionare **Next** (Avanti).
 - c Selezionare **Next** (Avanti) per proseguire con le schermate successive.

Sulla schermata Settings Review (Revisione impostazioni), un segno di spunta verde indica che le impostazioni sono state abilitate.

- 7 Selezionare **Save** (Salva).
- 8 Per chiudere System Settings (Impostazioni di sistema), selezionare **Exit** (Esci).

Configurazione manuale delle impostazioni

L'impostazione manuale guida l'utente attraverso tutte le schermate della scheda Settings (Impostazioni) per configurare le impostazioni della corsa, che presentano i requisiti seguenti:

- ▶ Attivazione del supporto proattivo Illumina e BaseSpace Sequence Hub richiede una connessione Internet. BaseSpace Sequence Hub richiede anche un account. Per istruzioni su come impostare un account, vedere *BaseSpace Sequence Hub Online Help (documento n. 1000000009008)* (Guida online di BaseSpace Sequence Hub).
- ▶ L'utilizzo di BaseSpace Sequence Hub per l'analisi dei dati quando in sistema è configurato per la modalità Manual (Manuale) richiede un foglio campioni. Per i dettagli, vedere *Requisiti del foglio campioni a pagina 14*.

- 1 Dal menu del software di controllo, selezionare **System Settings** (Impostazioni di sistema).
- 2 Selezionare **Set Up Manually** (Impostazione manuale).
- 3 Scegliere se attivare il servizio proattivo Illumina:
 - ▶ Per attivarlo, selezionare la casella di controllo **Turn on Illumina Proactive Support** (Attiva il supporto proattivo Illumina).
 - ▶ Per disattivarlo, deselegionare la casella di controllo **Turn off Illumina Proactive Support** (Disattiva il supporto proattivo Illumina).

Il servizio invia a Illumina i dati delle prestazioni dello strumento, come la temperatura e la durata della corsa. Tali dati aiutano Illumina nel rilevamento di potenziali malfunzionamenti e nel semplificare la risoluzione dei problemi. I dati della corsa non vengono inviati. Per maggiori informazioni, vedere *Illumina Proactive Technical Note (document # 1000000052503)* (Nota tecnica sul servizio proattivo Illumina).

- 4 Selezionare **Next** (Avanti).
- 5 Scegliere se collegare le corse a BaseSpace Sequence Hub:
 - ▶ Per collegare le corse, selezionare una delle caselle di controllo seguenti:
 - ▶ **Turn on run monitoring from anywhere only** (Attiva solo il monitoraggio a distanza della corsa): BaseSpace Sequence Hub viene utilizzato per il monitoraggio a distanza.
 - ▶ **Turn on run analysis, collaboration, and storage also** (Attiva anche analisi corsa, collaborazione e archiviazione): BaseSpace Sequence Hub viene utilizzato per il monitoraggio a distanza e l'analisi.
 - ▶ Per scollegare le corse, deselegionare le caselle di controllo **Turn on run monitoring from anywhere only** (Attiva solo il monitoraggio a distanza della corsa) e **Turn on run analysis, collaboration, and storage also** (Attiva anche analisi corsa, collaborazione e archiviazione).

Quando le corse sono collegate, il software di controllo invia i file InterOp e di registro a BaseSpace Sequence Hub. Anche l'opzione per l'analisi della corsa, la collaborazione e l'archiviazione invia i dati della corsa.

- 6 Nell'elenco Set Region (Imposta regione), selezionare la posizione geografica in cui si trova il sistema o la posizione più vicina al luogo in cui si trova il sistema.
Questa impostazione assicura che i dati siano archiviati nella posizione geografica corretta per BaseSpace Sequence Hub.
- 7 Se si dispone di un abbonamento Enterprise, nel campo Enter Private Domain (Immetti dominio privato), immettere il nome del dominio (URL) utilizzato per l'identificazione unica (Single sign-on, SSO) su BaseSpace Sequence Hub.
Ad esempio: <https://yourlab.basespace.illumina.com>.
- 8 Selezionare **Next** (Avanti).
- 9 Scegliere se integrare il software di controllo con Local Run Manager:
 - ▶ Per creare corse e analizzare dati in Local Run Manager, selezionare **Use Local Run Manager** (Utilizza Local Run Manager).
 - ▶ Per creare corse nel software di controllo e analizzare i dati in un'altra applicazione, selezionare **Use Manual Mode** (Utilizza la modalità manuale).Local Run Manager fornisce il flusso di lavoro più ottimizzato, ma non è una funzione del software di controllo. È un software integrato per registrare i campioni per il sequenziamento, specificare i parametri della corsa e analizzare i dati. Prima del sequenziamento, rivedere *Local Run Manager Software Guide* (documento n. 1000000002702) (Guida al software Local Run Manager).
- 10 Selezionare **Next** (Avanti).
- 11 Rivedere le impostazioni. Per modificare un'impostazione:
 - a Selezionare **Edit** (Modifica) per aprire l'impostazione.
 - b Modificare l'impostazione come desiderato, quindi selezionare **Next** (Avanti).
 - c Selezionare **Next** (Avanti) per proseguire con le schermate successive.Sulla schermata Settings Review (Revisione impostazioni), un segno di spunta verde indica che le impostazioni sono state abilitate.
- 12 Selezionare **Save** (Salva).
- 13 Per chiudere System Settings (Impostazioni di sistema), selezionare **Exit** (Esci).

Requisiti del foglio campioni

Quando il sistema è configurato per la modalità Manual (Manuale) e si analizzano i dati in BaseSpace Sequence Hub, ogni corsa richiede un foglio campioni. Creare un foglio campioni modificando il *modello del foglio campioni per il sistema iSeq 100 in modalità Manual (Manuale)*, quindi importarlo nel software di controllo durante l'impostazione della corsa. Completata l'importazione, il software rinomina automaticamente i fogli campioni in **SampleSheet.csv**.

Scaricare il modello del foglio campioni dalle pagine di supporto del sistema di sequenziamento iSeq 100: [iSeq 100 System Sample Sheet Template for Manual Mode](#) (Modello del foglio campioni per la modalità Manual - Manuale - per il sistema iSeq 100).



ATTENZIONE

Immettere le sequenze adattatori Index 2 (i5) (Indice 2 - i5) nel corretto orientamento per il sistema di sequenziamento iSeq 100. Per gli orientamenti degli indici, vedere *Illumina Adapter Sequences* (documento n. 1000000002694) (Sequenze adattatori Illumina).

Un foglio campioni è richiesto anche quando il sistema è configurato in modalità Local Run Manager. Tuttavia, Local Run Manager crea il foglio campioni e lo salva nella posizione corretta. In tutte le altre circostanze, un foglio campioni è facoltativo.

Personalizzazione dello strumento

Nominare lo strumento e configurare le impostazioni per l'audio, le immagini in miniatura e gli aggiornamenti software sulla scheda Customization (Personalizzazione) in System Settings (Impostazioni di sistema)

Nome dello strumento

- 1 Dal menu del software di controllo, selezionare **System Settings** (Impostazioni di sistema).
- 2 Selezionare la scheda Customization (Personalizzazione).
- 3 Nel campo Nickname (Nome personalizzato), immettere un nome preferito per lo strumento. Il nome viene visualizzato lungo la parte superiore di ogni schermata.
- 4 Selezionare **Save** (Salva).
- 5 Per chiudere System Settings (Impostazioni di sistema), selezionare **Exit** (Esci).

Accensione o spegnimento dell'audio

- 1 Dal menu del software di controllo, selezionare **System Settings** (Impostazioni di sistema).
- 2 Selezionare la scheda Customization (Personalizzazione).
- 3 Scegliere se silenziare il sistema:
 - ▶ Per spegnere l'audio, selezionare **Off** (Disattiva).
 - ▶ Per accendere l'audio, selezionare **On** (Attiva).
- 4 Selezionare **Save** (Salva).
- 5 Per chiudere System Settings (Impostazioni di sistema), selezionare **Exit** (Esci).

Salvataggio delle immagini in miniatura (thumbnail)

- 1 Dal menu del software di controllo, selezionare **System Settings** (Impostazioni di sistema).
- 2 Selezionare la scheda Customization (Personalizzazione).
- 3 Scegliere se salvare le immagini in miniatura:
 - ▶ Per salvare le immagini in miniatura, selezionare la casella di controllo **Save all thumbnail images** (Salva tutte le immagini in miniatura).
 - ▶ Per non salvare le immagini in miniatura, deselezionare la casella di controllo **Save all thumbnail images** (Salva tutte le immagini in miniatura).

Il salvataggio delle immagini in miniatura contribuisce alla risoluzione dei problemi e incide pochissimo sulla dimensione della corsa. Per impostazione predefinita, vengono salvate tutte le immagini in miniatura.
- 4 Selezionare **Save** (Salva).
- 5 Per chiudere System Settings (Impostazioni di sistema), selezionare **Exit** (Esci).

Configurazione degli aggiornamenti del software

Il sistema può controllare e scaricare automaticamente gli aggiornamenti software da installare oppure l'utente può controllare manualmente. Per maggiori informazioni, vedere *Aggiornamenti del software* a pagina 34.

- 1 Dal menu del software di controllo, selezionare **System Settings** (Impostazioni di sistema).
- 2 Selezionare la scheda Customization (Personalizzazione).
- 3 Scegliere se il sistema deve verificare automaticamente gli aggiornamenti del software:
 - ▶ Per la verifica automatica, selezionare la casella di controllo **Autocheck for software updates** (Controllo automatico degli aggiornamenti del software).
 - ▶ Per la verifica manuale, deselezionare la casella di controllo **Autocheck for software updates** (Controllo automatico degli aggiornamenti del software).Il controllo automatico richiede una connessione Internet.
- 4 Selezionare **Save** (Salva).
- 5 Per chiudere System Settings (Impostazioni di sistema), selezionare **Exit** (Esci).

Impostazione della rete

Il funzionamento dello strumento e il trasferimento dei dati richiedono solo una connessione Wi-Fi o Ethernet con le impostazioni di rete predefinite. Queste impostazioni non devono essere aggiornate a meno che la sede abbia requisiti di rete personalizzati. In questo caso, rivolgersi al tecnico informatico per la modifica delle impostazioni di rete predefinite.

La *Guida alla preparazione della sede di installazione per il sistema di sequenziamento iSeq 100* (documento n. 100000035337) fornisce le linee guida per le impostazioni della rete e la sicurezza del computer di controllo.

Impostazione della posizione della cartella degli output

Universal Copy Service copia i file di output del sequenziamento dalla cartella della corsa a BaseSpace Sequence Hub (se applicabile) e alla cartella degli output fruibili dall'utente.

È richiesta una cartella degli output a meno che il sistema sia configurato per il monitoraggio della corsa, la collaborazione e l'archiviazione utilizzando BaseSpace Sequence Hub. Se non viene specificata una posizione della cartella degli output, Universal Copy Service copia i file in D:\SequencingRuns.

- 1 Dal menu del software di controllo, selezionare **System Settings** (Impostazioni di sistema).
- 2 Selezionare la scheda Network Access (Accesso alla rete).
- 3 Nel campo Output Folder (Cartella degli output), immettere una posizione o selezionare **Browse** (Sfogliala) per andare alla posizione prescelta.
 - ▶ **Internal drive** (Unità interna): immettere una posizione esistente sull'unità D. L'unità C non dispone di spazio sufficiente.
 - ▶ **External drive** (Unità esterna): immettere la posizione di un'unità USB collegata allo strumento.
 - ▶ **Network location** (Posizione rete): immettere una posizione per la rete.È possibile cambiare la posizione predefinita corsa per corsa.
- 4 Procedere nel modo seguente.
 - ▶ Se è stata specificata una posizione per l'unità interna o esterna, selezionare **Save** (Salva), quindi **Exit** (Esci) per salvare la posizione e chiudere System Settings (Impostazioni di sistema).

- ▶ Se è stata specificata una posizione di rete, continuare fino al passaggio 5-8 per collegare Universal Copy Service a un account che dispone di accesso a quella posizione.
- 5 In Universal Copy Service, selezionare un tipo di account:
 - ▶ **Local System Account** (Account di sistema locale): la cartella degli output risiede in una directory accessibile con un account locale, che dispone dell'accesso alla maggior parte delle posizioni.
 - ▶ **Network Account** (Account di rete): la cartella degli output risiede in una directory che richiede le credenziali di accesso.

Questa impostazione si applica alla posizione della cartella degli output predefinita e a qualsiasi posizione specificata durante l'impostazione della corsa.
 - 6 Se è stato selezionato Network Account (Account di rete), immettere il nome utente e la password per l'account.
 - 7 Selezionare **Save** (Salva).
 - 8 Per chiudere System Settings (Impostazioni di sistema), selezionare **Exit** (Esci).

Connessione a Internet

Configurare una connessione Internet Wi-Fi o Ethernet nelle impostazioni Network & Internet (Rete e Internet) di Windows, che possono essere aperte dal software di controllo. Il trasferimento dei dati mediante la connessione Ethernet predefinita è più affidabile.

- 1 Dal menu del software di controllo, selezionare **System Settings** (Impostazioni di sistema).
- 2 Selezionare la scheda Network Access (Accesso alla rete).
- 3 Selezionare **Network Configuration** (Configurazione della rete), che riduce a icona il software di controllo e apre le impostazioni Network & Internet (Rete e Internet) di Windows.
- 4 Configurare una connessione Wi-Fi o Ethernet.
 - ▶ Se si opta per una connessione Wi-Fi, modificare l'opzione adattatore in **Wi-Fi**.
 - ▶ Per istruzioni di configurazione dettagliate, vedere la Guida di Windows 10 sul sito Web di Microsoft.
- 5 Al termine della configurazione, chiudere le impostazioni di Windows e il software di controllo.
- 6 Dalla scheda Network Access (Accesso alla rete), selezionare **Save** (Salva).
- 7 Per chiudere System Settings (Impostazioni di sistema), selezionare **Exit** (Esci).

Connessione a un server proxy

- 1 Ridurre a icona il software di controllo.
- 2 Da Avvio di Windows, aprire la finestra di dialogo Run (Corsa).
- 3 Digitare **cmd**, quindi selezionare **OK** (Ok).
- 4 Digitare il comando seguente:


```
C:\windows\System32\bitsadmin.exe /Util /SetIEProxy LocalSystem Manual_proxy http://<proxyserver>:<proxy port> NULL
```
- 5 Sostituire `http://<proxyserver>:<proxy port>` con l'indirizzo del server proxy e la porta proxy, quindi impostare `NULL` (Nessuno) con qualsiasi bypass.
- 6 Premere Invio per eseguire il comando.
- 7 Spegner e riaccendere lo strumento. Per istruzioni, vedere *Spegnimento e riaccensione dello strumento a pagina 47*.

Apparecchiature e materiali di consumo forniti dall'utente

Materiali di consumo per il sequenziamento

Materiali di consumo	Fornitore	Scopo
Guanti monouso, privi di polvere	Fornitore di laboratorio generico	Uso generico.
iSeq 100 i1 Reagent v2	Illumina, n. di catalogo: <ul style="list-style-type: none"> • 20031371 (300 cicli, confezione singola) • 20031374 (300 cicli, confezione da quattro) • 20040760 (300 cicli, confezione da otto) 	Fornisce i reagenti e la cella a flusso per una corsa.
Microprovette, 1,5 ml	Fisher Scientific, n. di catalogo 14-222-158, o provette equivalenti a bassa capacità legante	Per la diluizione delle librerie alla concentrazione di caricamento.
Carta assorbente	Fornitore di laboratorio generico	Per asciugare la cartuccia dopo averla immersa in un bagno d'acqua.
Punte per pipette, 20 µl	Fornitore di laboratorio generico	Per la diluizione e il caricamento delle librerie.
Punte per pipette, 100 µl	Fornitore di laboratorio generico	Per la diluizione e il caricamento delle librerie.
Tampone di risospensione	Illumina, fornito nei kit di preparazione delle librerie	Per la diluizione delle librerie alla concentrazione di caricamento.
[Facoltativo] 10 mM di Tris-HCl, pH 8,5	Fornitore di laboratorio generico	Sostituisce il tampone RSB per la diluizione delle librerie alla concentrazione di caricamento.
[Facoltativo] Campione di controllo PhiX v3	Illumina, n. di catalogo FC-110-3001	Per eseguire una corsa solo con PhiX o aggiungere un campione di controllo PhiX.

Materiali di consumo per la manutenzione e la risoluzione dei problemi

Materiali di consumo	Fornitore	Scopo
Salviettine imbevute di candeggina, 10%	VWR, n. di catalogo 16200-218, o equivalente	Per la decontaminazione dello strumento e la pulizia delle superfici di lavoro.
Guanti monouso, privi di polvere	Fornitore di laboratorio generico	Uso generico.
Tappetino del vassoio raccogliocce di ricambio iSeq 100 ¹	Illumina, n. di catalogo 20023927	Rivestimento del vassoio raccogliocce per assorbire eventuali fuoriuscite di fluidi.
Filtro dell'aria di ricambio iSeq 100 ¹	Illumina, n. di catalogo 20023928	Per la sostituzione del filtro dell'aria ogni sei mesi.
iSeq 100 System Test Kit ²	Illumina, n. di catalogo 20024141	Per eseguire una verifica del sistema.
Salviettine imbevute di alcol isopropilico al 70%	VWR, n. di catalogo 95041-714, o equivalente	Per la pulizia dello strumento e della cella a flusso per il test riutilizzabile.
Panno da laboratorio a bassissimo rilascio di particelle	VWR, n. di catalogo 21905-026, o equivalente	Per asciugare il vassoio raccogliocce e la cella a flusso per il test riutilizzabile.

Materiale di consumo	Fornitore	Scopo
Carta assorbente	Fornitore di laboratorio generico	Per asciugare eventuali fluidi intorno allo strumento.
[Facoltativo] Soluzione di candeggina, 10%	VWR, n. di catalogo 16003-740 (32 once), 16003-742 (16 once), o equivalente	Per la pulizia delle superfici di lavoro dopo la decontaminazione.
[Facoltativo] Salviettine imbevute di etanolo, 70%	Fisher Scientific, n. di catalogo 19-037-876, o equivalente	Sostituisce le salviette imbevute di alcol isopropilico per la pulizia dello strumento e della cella a flusso per il test riutilizzabile.

¹ Lo strumento è spedito con un tappetino installato e un tappetino di ricambio. Se non in garanzia, le parti di ricambio sono a carico dell'utente. Mantenere confezionato fino all'utilizzo.

² Sostituisce i componenti per il test riutilizzabili spediti con lo strumento al momento della scadenza, ossia dopo cinque anni o 130 utilizzi.

Apparecchiatura

Apparecchio	Fornitore	Scopo
Congelatore, tra -25 °C e -15 °C	Fornitore di laboratorio generico	Per la conservazione della cartuccia.
Portaghiaccio	Fornitore di laboratorio generico	Per mettere da parte le librerie.
Pipette, 10 µl	Fornitore di laboratorio generico	Per la diluizione delle librerie alla concentrazione di caricamento.
Pipette, 20 µl	Fornitore di laboratorio generico	Per la diluizione delle librerie alla concentrazione di caricamento.
Pipette, 100 µl	Fornitore di laboratorio generico	Per la diluizione delle librerie alla concentrazione di caricamento.
Frigorifero, temperatura compresa tra 2 °C e 8 °C	Fornitore di laboratorio generico	Per conservare la cella a flusso.
[Facoltativo] Tastiera	Fornitore di laboratorio generico	Come supplemento alla tastiera sullo schermo.
[Facoltativo] Mouse	Fornitore di laboratorio generico	Come supplemento all'interfaccia touch screen.
[Facoltativo] Bagno d'acqua	Fornitore di laboratorio generico	Per lo scongelamento della cartuccia.

Capitolo 3 Sequenziamento

Introduzione	20
Scongelamento della cartuccia nella sua confezione	21
Preparazione della cella a flusso e delle librerie	22
Caricamento dei materiali di consumo nella cartuccia	24
Impostazione di una corsa di sequenziamento - Local Run Manager	26
Impostazione di una corsa di sequenziamento - modalità Manual (Manuale)	29

Introduzione

La generazione di cluster, il sequenziamento e l'analisi comprendono il sequenziamento sul sistema iSeq 100. Ogni passaggio si verifica automaticamente durante una corsa di sequenziamento. In base alla configurazione del sistema, ulteriore analisi viene eseguita su un computer indipendente al termine della corsa.

- ▶ **Cluster generation** (Generazione di cluster): la libreria viene automaticamente denaturata in singoli filamenti e ulteriormente diluita sullo strumento. Durante la generazione di cluster, il DNA a molecola singola si lega alla superficie della cella a flusso e viene sottoposto ad amplificazione per formare i cluster.
- ▶ **Sequencing** (Sequenziamento): i cluster sono sottoposti a imaging utilizzando la chimica a singolo colorante, che utilizza una marcatura fluorescente e due cicli di imaging per codificare i dati per i quattro nucleotidi. Il primo ciclo di imaging rileva l'adenina (A) e la timina (T). Un ciclo di chimica scinde quindi un colorante da A e contemporaneamente aggiunge un colorante simile alla citosina (C). Il secondo ciclo di imaging rileva C e T. Al termine del secondo ciclo di imaging, il software Real-Time Analysis esegue l'identificazione delle basi, il filtraggio e assegna il punteggio qualitativo. Questo processo viene ripetuto per ogni ciclo di sequenziamento. Per maggiori informazioni sulla chimica a singolo colorante, vedere *Identificazione delle basi a pagina 43*.
- ▶ **Analysis** (Analisi): man mano che la corsa procede, il software di controllo trasferisce automaticamente i file di identificazione delle basi (*.bcl) alla cartella degli output specificata per l'analisi dei dati. Il metodo di analisi dei dati dipende dall'applicazione e dalla configurazione del sistema.

Volume e concentrazione di caricamento

Il volume di caricamento è 20 µl. La concentrazione di caricamento dipende dal tipo di libreria e dal tipo di cartuccia.



NOTA

Se è stata individuata una concentrazione di caricamento ottimale per iSeq 100 i1 Reagent v1, si raccomanda di iniziare con la stessa concentrazione di caricamento quando si sequenzia iSeq 100 i1 Reagent v2.

Tipo di libreria	Concentrazione di caricamento (pM)
PhiX al 100% (per una corsa solo con PhiX)	100
Library PLUS AmpliSeq for Illumina	40-60
Nextera DNA Flex	75-125
Nextera Flex for Enrichment	50-100
Nextera XT DNA	100-200
TruSeq DNA Nano	125-175
TruSeq DNA PCR-Free	75-125

Per altri tipi di libreria, Illumina raccomanda una concentrazione di caricamento iniziale di 50 pM. Ottimizzare questa concentrazione sulle corse successive per identificare una concentrazione di caricamento che renda dati in modo coerente e che corrisponda alle specifiche.

Concentrazioni di caricamento troppo elevate o troppo basse risultano in generazione di cluster e metriche della corsa al di sotto dei valori ottimali. Per maggiori informazioni, vedere *Cluster Optimization Overview Guide (document # 1000000071511)* (Guida sulla panoramica per l'ottimizzazione dei cluster).

Numero di cicli raccomandato

Per ogni lettura, immettere almeno 26 cicli e al massimo 151 cicli per ottimizzare la qualità dei dati. Il numero esatto di cicli dipende dall'esperimento.

Il numero minimo e massimo dei cicli include un ciclo in più. Aggiungere sempre un ciclo alla lunghezza di lettura desiderata per correggere gli effetti della determinazione delle fasi (phasing) e della predeterminazione delle fasi (prephasing). La lunghezza di lettura rappresenta il numero di cicli di **sequenziamento** in Read 1 (Lettura 1) e Read 2 (Lettura 2), che esclude i cicli in più e i cicli dell'indice.

Esempio di impostazione della corsa:

- ▶ Per una lunghezza di lettura di 36 (unidirezionale), immettere **37** nel campo Read 1 (Lettura 1).
- ▶ Per una lunghezza di lettura di 150 per lettura (paired-end), immettere **151** nel campo Read 1 (Lettura 1) e **151** nel campo Read 2 (Lettura 2).

Requisiti del sequenziamento

- ▶ Quando si manipolano i reagenti o altre sostanze chimiche, indossare occhiali di sicurezza, un camice da laboratorio e guanti privi di polvere. Quando suggerito, cambiare i guanti per impedire la contaminazione incrociata.
- ▶ Prima di iniziare un protocollo, assicurarsi di avere a disposizione le apparecchiature e i materiali di consumo necessari. Vedere *Apparecchiature e materiali di consumo forniti dall'utente a pagina 18*.
- ▶ Attenersi ai protocolli nell'ordine indicato, utilizzando i volumi, le temperature e le durate indicate.
- ▶ Se non viene specificato un punto di arresto, passare immediatamente al passaggio successivo.
- ▶ **Se la cartuccia viene scongelata in un bagno d'acqua**, conservare la cartuccia a una temperatura compresa tra -25 °C e -15 °C per almeno un giorno prima dello scongelamento. Un bagno d'acqua è il metodo di scongelamento più veloce dei tre.

Scongelo della cartuccia nella sua confezione

- 1 Indossare un nuovo paio di guanti privi di polvere.
- 2 Rimuovere la cartuccia dalla temperatura di conservazione compresa tra -25 °C e -15 °C.
- 3 Se la cartuccia è in una scatola, rimuoverla dalla scatola ma **non aprire il sacchetto sigillato bianco**.



- 4 Scongela la cartuccia nella sua confezione utilizzando uno dei seguenti metodi. Utilizzare immediatamente dopo lo scongelamento, senza ricongelare o conservare in altro modo.

Metodo	Durata scongelamento	Istruzione
Bagno d'acqua tra 20 °C e 25 °C	6 ore, non superare le 18 ore	<ul style="list-style-type: none"> • Per la cartuccia utilizzare 6 l di acqua. • Impostare un bagno d'acqua a una temperatura controllata di 25 °C oppure miscelare acqua calda e fredda per raggiungere una temperatura compresa tra 20 °C e 25 °C. • Con l'etichetta rivolta verso l'alto, immergere completamente la cartuccia e applicare un peso di circa 2 kg per impedire il galleggiamento. • Non impilare le cartucce nel bagno d'acqua a meno che non sia a temperatura controllata.
Frigorifero, temperatura compresa tra 2 °C e 8 °C	36 ore, non superare una settimana	Posizionare la cartuccia in modo che l'etichetta sia rivolta verso l'alto e che l'aria possa circolare su tutti i lati, inclusa la parte inferiore.
Aria a temperatura ambiente	9 ore, non superare le 18 ore	Posizionare la cartuccia in modo che l'etichetta sia rivolta verso l'alto e che l'aria possa circolare su tutti i lati, inclusa la parte inferiore.



ATTENZIONE

Lo scongelamento di una cartuccia in un bagno d'acqua direttamente dopo la consegna, quando conservata su ghiaccio secco, può incidere in modo negativo sulle prestazioni. Prima dello scongelamento, conservare a una temperatura compresa tra -25 °C e -15 °C per almeno un giorno.

- 5 Se rimane bagnata in seguito al bagno d'acqua, asciugare con della carta assorbente.

Preparazione della cella a flusso e delle librerie

Prima di caricare la cella a flusso e le librerie nella cartuccia, portare a temperatura ambiente la cella a flusso, diluire le librerie e, facoltativamente, aggiungere PhiX. Le librerie vengono denaturate automaticamente sullo strumento.

Le istruzioni per la diluizione si applicano alle librerie Illumina supportate che sono a doppio filamento. Eseguire sempre un'analisi di controllo qualità, ottimizzare la concentrazione di caricamento per la libreria e utilizzare un metodo di normalizzazione che generi librerie a doppio filamento. La normalizzazione basata sulle microsfere che genera librerie a singolo filamento non è compatibile con la denaturazione integrata sullo strumento.

Diluizione della libreria a 1 nM

- Preparare la cella a flusso nel modo seguente.
 - Rimuovere una nuova cella a flusso dalla temperatura di conservazione compresa tra 2 °C e 8 °C.
 - Mettere da parte la confezione chiusa a temperatura ambiente per 10-15 minuti.
- Rimuovere il tampone di risospensione (RSB) dalla temperatura di conservazione compresa tra -25 °C e -15 °C. In alternativa, utilizzare 10 mM di Tris-HCl, pH 8,5 al posto di RSB.
- [Facoltativo]** Rimuovere la soluzione madre di PhiX a 10 nM dalla temperatura di conservazione compresa tra -25 °C e -15 °C.
PhiX è richiesto solo per un'aggiunta facoltativa o per una corsa solo con PhiX.
- Scongela RSB e PhiX facoltativo a temperatura ambiente per 10 minuti.

- 5 In una microprovetta a **bassa capacità** legante, diluire 1 nM di libreria in RSB al volume applicabile:

Tipo di libreria	Volume della libreria a 1 nM (µl)*
PhiX al 100% (per una corsa solo con PhiX)	12
Library PLUS AmpliSeq for Illumina	7
Nextera DNA Flex	12
Nextera Flex for Enrichment	10
Nextera XT DNA	20
TruSeq DNA Nano	20
TruSeq DNA PCR-Free	12

* I volumi includono l'eccesso per un pipettamento accurato.

Il sequenziamento corretto dipende dalla diluizione delle librerie in provette a bassa capacità legante.

- 6 Utilizzare brevemente un vortex, quindi centrifugare a 280 × giri per un minuto.
- 7 **[Facoltativo]** Conservare la libreria a 1 nM a una temperatura compresa tra -25 °C e -15 °C per un massimo di un mese.

Diluizione di una libreria a 1 nM alla concentrazione di caricamento

- 1 In una microprovetta a bassa capacità legante, combinare i seguenti volumi per preparare 100 µl di libreria diluita alla corretta concentrazione di caricamento:

Tipo di libreria*	Concentrazione di caricamento (pM)	Volume libreria a 1 nM (µl)	Volume di RSB (µl)
PhiX al 100% (per una corsa solo con PhiX)	100	10	90
Library PLUS AmpliSeq for Illumina	40-60	5	95
Nextera DNA Flex	75-125	10	90
Nextera Flex for Enrichment	50-100	7,5	92,5
Nextera XT DNA	100-200	15	85
TruSeq DNA Nano	125-175	15	85
TruSeq DNA PCR-Free	75-125	10	90

Queste tabelle illustrano esempi di concentrazioni di caricamento. Il sistema iSeq 100 è compatibile con tutti i kit di preparazione delle librerie Illumina fatta eccezione per SureCell WTA 3', ma la concentrazione di caricamento ottimale può variare.

- 2 Utilizzare brevemente un vortex, quindi centrifugare a 280 × giri per un minuto.
- 3 Mettere da parte su ghiaccio la libreria diluita per il sequenziamento. Sequenziare le librerie lo stesso giorno in cui sono state diluite.
- 4 Se **non** si sta aggiungendo PhiX o eseguendo una corsa solo con PhiX, saltare la sezione successiva e passare a *Caricamento dei materiali di consumo nella cartuccia a pagina 24*.

Aggiunta di un campione di controllo PhiX (facoltativo)

PhiX è una libreria Illumina piccola e pronta all'uso con una rappresentazione bilanciata dei nucleotidi. L'aggiunta di PhiX al 2% alle librerie consente di fornire ulteriori metriche. Per le librerie a bassa diversità, utilizzare un'aggiunta al 10% per incrementare la diversità delle basi.

**NOTA**

Un'aggiunta di appena l'1% è efficace per fornire ulteriori metriche, ma rende difficile il pipettamento.

- 1 In una microprovetta a bassa capacità legante, combinare i volumi seguenti per preparare 50 µl di PhiX a 1 nM:
 - ▶ PhiX a 10 nM (5 µl)
 - ▶ RSB (45 µl)
- 2 Utilizzare brevemente un vortex, quindi centrifugare a 280 × giri per un minuto.
- 3 **[Facoltativo]** Conservare PhiX a 1 nM a una temperatura compresa tra -25 °C e -15 °C per un massimo di un mese.
- 4 In una microprovetta a bassa capacità legante, combinare PhiX a 1 nM e RSB per preparare 100 µl di PhiX diluito alla stessa concentrazione di caricamento della libreria.
Ad esempio:

Concentrazione di caricamento di PhiX (pM)	Volume di PhiX a 1 nM (µl)	Volume di RSB (µl)
25	2,5	97,5
50	5	95
70	7	93
80	8	92
100	10	90
115	11,5	88,5
200	20	80

- 5 Combinare PhiX e la libreria:
 - ▶ Per un'aggiunta al 2%, aggiungere 2 µl di PhiX diluito a 100 µl di libreria diluita.
 - ▶ Per un'aggiunta al 10%, aggiungere 10 µl di PhiX diluito a 100 µl di libreria diluita.
 La percentuale effettiva di PhiX varia in base alla qualità e alla quantità della libreria.
- 6 Utilizzare brevemente un vortex, quindi centrifugare a 280 × giri per un minuto.
- 7 Mettere da parte su ghiaccio la libreria addizionata con PhiX.

Caricamento dei materiali di consumo nella cartuccia

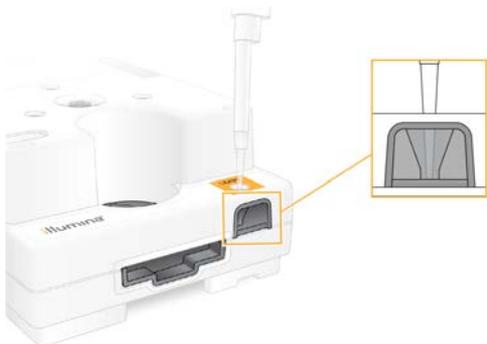
- 1 **[Facoltativo]** Per vedere un video contenente le istruzioni per la preparazione e il caricamento della cartuccia, selezionare **Sequence** (Sequenziamento).
- 2 Aprire la confezione contenente la cartuccia a partire dalle tacche.
- 3 Evitando la finestra di accesso che si trova nella parte superiore della cartuccia, rimuovere la cartuccia dalla confezione. Eliminare la confezione.
- 4 Capovolgere la cartuccia cinque volte per miscelare i reagenti.
I componenti interni possono fare rumore durante il capovolgimento, ma questo è normale.
- 5 Picchiettare la cartuccia (con l'etichetta rivolta verso il basso) sul banco o su altra superficie solida cinque volte per assicurare la corretta aspirazione dei reagenti.

Caricamento della libreria

- 1 Con una nuova punta per pipette forare il serbatoio Library (Libreria) e spingere il sigillo verso i bordi per allargare il foro.



- 2 Smaltire la punta per pipette per impedire la contaminazione.
- 3 Dispensare 20 µl di libreria diluita nella parte *inferiore* del serbatoio. Evitare di toccare il sigillo.



Caricamento della cella a flusso

- 1 Aprire la confezione bianca della cella a flusso sigillata a partire dalle tacche. Utilizzare entro 24 ore dall'apertura della confezione.
- 2 Estrarre la cella a flusso dalla confezione.
 - ▶ Quando si manipola la cella a flusso, toccare solo la parte in plastica.
 - ▶ Evitare di toccare l'interfaccia elettrica, il sensore CMOS, il vetro e le guarnizioni su entrambi i lati del vetro.



- 3 Tenere la cella a flusso per le protuberanze con l'etichetta rivolta verso l'alto.
- 4 Inserire la cella a flusso nella slot sul lato anteriore della cartuccia. Quando la cella a flusso è in posizione si avverte un "clic". Quando caricata correttamente, le protuberanze presenti sulla cartuccia e il vetro sono visibili dalla finestra di accesso.



- A Caricamento della cella a flusso
- B Cella a flusso caricata

- 5 Smaltire la confezione nel seguente modo.
 - a Rimuovere la confezione in plastica a forma di conchiglia dalla confezione sigillata.
 - b Rimuovere il materiale essiccante dalla confezione a forma di conchiglia.
 - c Riciclare la confezione a forma di conchiglia e smaltire la confezione sigillata e l'essiccante.
- 6 Per proseguire dipende se il sistema è integrato con Local Run Manager:
 - ▶ Se si utilizza Local Run Manager, attenersi a *Impostazione di una corsa di sequenziamento - Local Run Manager a pagina 26*.
 - ▶ Se non si utilizza Local Run Manager, attenersi a *Impostazione di una corsa di sequenziamento - modalità Manual (Manuale) a pagina 29*.

Impostazione di una corsa di sequenziamento - Local Run Manager

L'impostazione di una corsa utilizzando Local Run Manager consente di creare e salvare la corsa in Local Run Manager, quindi tornare al software di controllo per caricare i materiali di consumo e selezionare una corsa. I dati vengono salvati nella cartella degli output specificati per l'analisi che Local Run Manager esegue automaticamente al termine della corsa.

- 1 Aprire Local Run Manager localmente sul monitor dello strumento o a distanza da un altro computer:

Accesso	Apertura di Local Run Manager
Locale	Dal menu del software di controllo, selezionare Local Run Manager , quindi selezionare Open Local Run Manager (Apri Local Run Manager).
A distanza	Dal menu del software di controllo, selezionare About (Informazioni su) per ottenere l'indirizzo IP del sistema. Da un computer sulla stessa rete dello strumento, aprire Local Run Manager in Chromium. Collegarsi utilizzando l'indirizzo IP del sistema.

- 2 Se il monitor dello strumento Chromium appare vuoto, spegnere e riaccendere lo strumento e riavviare l'impostazione della corsa. Per le istruzioni, vedere *Spegnimento e riaccensione dello strumento a pagina 47*.
- 3 In Local Run Manager, creare e salvare la corsa.
 - ▶ Per istruzioni, vedere *Local Run Manager Software Guide (documento n. 100000002702)* (Guida al software Local Run Manager).
 - ▶ Impostare una corsa solo con PhiX affinché non sia indicizzata.
Local Run Manager invia automaticamente le corse salvate al software di controllo.
- 4 Nel software di controllo, selezionare **Sequence** (Sequenziamento).

Il software apre lo sportello a una determinata angolazione, espelle il vassoio e avvia una serie di schermate per l'impostazione della corsa.

- 5 **[Facoltativo]** Selezionare **Help** (Aiuto) per visualizzare un suggerimento sullo schermo. Help (Aiuto) viene visualizzato in ogni schermata per fornire ulteriori informazioni.

Caricamento della cartuccia sullo strumento

- 1 Assicurarsi che la cartuccia sia scongelata e contenga la cella a flusso e la libreria diluita.
- 2 Collocare la cartuccia sul vassoio in modo che la finestra di accesso sia rivolta verso l'alto e che la cella a flusso sia all'interno dello strumento. Non spingere la cartuccia o il vassoio nello strumento.



- 3 Selezionare **Close Door** (Chiudi sportello) per far entrare la cartuccia e chiudere lo sportello. Un pannello viene visualizzato sul lato sinistro della schermata per mostrare le informazioni ottenute dai materiali di consumo scannerizzati.

Accesso a BaseSpace Sequence Hub

La schermata BaseSpace Sequence Hub viene visualizzata quando il sistema è configurato per il Run Monitoring (Monitoraggio della corsa) o per Run Monitoring and Storage (Monitoraggio e archiviazione della corsa).

- 1 Per scollegare l'attuale corsa da BaseSpace Sequence Hub, selezionare **Skip BaseSpace Sequence Hub Sign In** (Salta l'accesso a BaseSpace Sequence Hub). I dati delle prestazioni dello strumento sono ancora inviate a Illumina.
- 2 Per modificare la connessione per l'attuale corsa, selezionare un'opzione Configuration (Configurazione):
 - ▶ **Run Monitoring Only** (Solo monitoraggio della corsa): invia solo i file InterOp a BaseSpace Sequence Hub per consentire il monitoraggio a distanza.
 - ▶ **Run Monitoring and Storage** (Monitoraggio e archiviazione della corsa): invia i dati della corsa a BaseSpace Sequence Hub per il monitoraggio e l'analisi a distanza.
- 3 Immettere le credenziali per BaseSpace Sequence Hub, quindi selezionare **Sign In** (Accedi).
- 4 Viene visualizzato l'elenco Available Workgroups (Gruppi di lavoro disponibili), selezionare un gruppo di lavoro a cui inviare i dati della corsa. L'elenco viene visualizzato quando l'utente appartiene a più gruppi di lavoro.
- 5 Selezionare **Run Setup** (Imposta corsa).

Selezione di una corsa

1 Viene visualizzata la schermata Log in (Accedi) di Local Run Manager:

- a Immettere il nome utente e la password.
- b Selezionare **Log In** (Accedi).

La schermata viene visualizzata quando Local Run Manager è stato configurato per richiedere l'accesso. Per impostazione predefinita, l'accesso non è richiesto.

2 Selezionare una corsa dall'elenco Run Name (Nome corsa), che elenca le corse salvate in Local Run Manager.

- ▶ Per visualizzare un elenco aggiornato, selezionare **Refresh** (Aggiorna).
- ▶ Per popolare un elenco vuoto, selezionare **Open Local Run Manager** (Apri Local Run Manager) e creare una corsa.

La selezione di Open Local Run Manager (Apri Local Run Manager) riduce a icona il software di controllo e apre Local Run Manager in Chromium.

3 Se si è usciti dal software di controllo per creare una corsa, tornare al software di controllo e selezionare la corsa. Per aggiornare l'elenco, selezionare **Refresh** (Aggiorna).

4 **[Facoltativo]** Selezionare **Edit** (Modifica), quindi modificare i parametri della corsa:

- a Per modificare Read Type (Tipo lettura), selezionare **Single Read** (Unidirezionale) o **Paired End** (Paired-end).
- b Per modificare Read Cycle (Ciclo lettura), immettere **26-151** cicli ciascuno per Read 1 (Lettura 1) e Read 2 (Lettura 2). Aggiungere un ciclo al numero di cicli desiderato.
- c Per modificare la cartella degli output per l'attuale corsa, immettere il percorso alla posizione o selezionare **Browse** (Sfogliare) per andare alla posizione.
- d Selezionare **Save** (Salva) per aggiornare la corsa sia nel software di controllo che in Local Run Manager.

5 Selezionare **Start Run** (Avvia corsa) per avviare la verifica pre-corsa.

Revisione delle verifiche pre-corsa

Le verifiche pre-corsa includono una verifica dello strumento e una verifica del flusso. La verifica del flusso fora i sigilli della cartuccia e fa passare il reagente nella cella a flusso, in questo modo i materiali di consumo non possono essere riutilizzati dopo l'avvio della verifica del flusso.

1 Il completamento delle verifiche pre-corsa impiegano circa 15 minuti.

Dopo il corretto completamento, la corsa viene avviata automaticamente. Se il sistema non è stato silenziato, un segnale acustico indica che la corsa è stata avviata.



ATTENZIONE

L'apertura dello sportello durante la verifica pre-corsa o durante la corsa può causare una mancata riuscita della corsa.

2 Se si verifica un errore durante la verifica dello strumento, selezionare **Retry** (Riprova) per ripetere la verifica.

La verifica dello strumento precede la verifica della portata. Quando una verifica è in corso, la barra è animata.

3 Se un errore persiste, vedere *Risoluzione dei messaggi di errore a pagina 46* per risolvere il problema.

Monitoraggio del progresso della corsa

- 1 Monitorare il progresso della corsa e le metriche mentre vengono visualizzate sulla schermata Sequencing (Sequenziamento) dopo il ciclo 26.

Metrica	Descrizione
%Q30 (Read 1) (%Q30 - Lettura 1)	La percentuale delle identificazioni delle basi di Read 1 (Lettura 1) con un punteggio qualitativo di ≥ 30 .
%Q30 (Read 2) (%Q30 - Lettura 2)	La percentuale delle identificazioni delle basi di Read 2 (Lettura 2) con un punteggio qualitativo di ≥ 30 .
% Cluster PF (% di cluster che attraversano il filtro)	La percentuale di cluster che attraversano i filtri di qualità.
%Occupancy (% presenza)	La percentuale di pozzetti della cella a flusso che contengono i cluster.
Projected Total Yield (Resa totale prevista)	Il numero di identificazioni delle basi previsto per la corsa.

- 2 Per monitorare la copia dei file e altri processi della corsa, selezionare il menu del software di controllo, quindi selezionare **Process Management** (Gestione processo).

Scaricamento dei materiali di consumo

- 1 Al termine del sequenziamento, selezionare **Eject Cartridge** (Espelli cartuccia). Il software espelle la cartuccia usata dallo strumento.
- 2 Rimuovere la cartuccia dal vassoio.
- 3 Rimuovere la cella a flusso dalla cartuccia.
- 4 Smaltire la cella a flusso, che contiene componenti elettronici, in base agli standard applicabili nella propria regione.
- 5 Smaltire la cartuccia, che contiene reagenti usati, in base agli standard applicabili nella propria regione. Un lavaggio post-corsa non è necessario perché la fluidica viene smaltita con la cartuccia.



AVVERTENZA

Questo set di reagenti contiene materiali chimici potenzialmente pericolosi. L'inalazione, l'ingestione, il contatto con la pelle o con gli occhi possono causare lesioni personali. Indossare l'attrezzatura protettiva, inclusi protezione per gli occhi, guanti e indumento da laboratorio appropriato per evitare i rischi di esposizione. Manipolare i reagenti usati come rifiuti chimici e smaltirli in base alle leggi e alle regolamentazioni applicabili a livello regionale, nazionale e locale. Per ulteriori informazioni ambientali, di salute e di sicurezza, vedere le SDS alla pagina Web support.illumina.com/sds.html.

- 6 Selezionare **Close Door** (Chiudi sportello) per ricaricare il vassoio e tornare alla schermata Home (Inizio). Il software ricarica automaticamente il vassoio e i sensori confermano la rimozione della cartuccia.

Impostazione di una corsa di sequenziamento - modalità Manual (Manuale)

L'impostazione di una corsa in modalità Manual (Manuale) implica la configurazione dei parametri della corsa nel software di controllo e l'esecuzione dell'analisi non integrata sullo strumento utilizzando un'applicazione scelta dall'utente. Il software salva i dati nella cartella degli output per l'analisi. La generazione dei file FASTQ richiede un'ulteriore fase.

- 1 Se il sistema è configurato per l'analisi della corsa, la collaborazione e l'archiviazione mediante BaseSpace Sequence Hub, creare un foglio campioni per la corsa:
 - a Scaricare il *modello del foglio campioni per il sistema iSeq 100 in modalità Manual (Manuale)* dalle [pagine di supporto del software iSeq 100](#).
 - b Modificare il modello in base a necessità. Assicurarsi che:
 - ▶ Le sequenze adattatori Index 2 (i5) (Indice 2 - i5) siano nel corretto orientamento. Per gli orientamenti, vedere *Illumina Adapter Sequences (documento n. 1000000002694)* (Sequenze adattatori Illumina).
 - ▶ I valori del foglio campioni corrispondano ai valori del software di controllo. Ad esempio, immettere 151 nel campo Read 1 (Lettura 1) sia nel foglio campioni che nella schermata Run Setup (Impostazione corsa).
 - c Salvare il modello nel formato file CSV.
- 2 Nel software di controllo, selezionare **Sequence** (Sequenziamento).
Il software apre lo sportello a una determinata angolazione, espelle il vassoio e avvia una serie di schermate per l'impostazione della corsa.
- 3 **[Facoltativo]** Selezionare **Help** (Aiuto) per visualizzare un suggerimento sullo schermo.
Help (Aiuto) viene visualizzato in ogni schermata per fornire ulteriori informazioni.

Caricamento della cartuccia sullo strumento

- 1 Assicurarsi che la cartuccia sia scongelata e contenga la cella a flusso e la libreria diluita.
- 2 Collocare la cartuccia sul vassoio in modo che la finestra di accesso sia rivolta verso l'alto e che la cella a flusso sia all'interno dello strumento. Non spingere la cartuccia o il vassoio nello strumento.



- 3 Selezionare **Close Door** (Chiudi sportello) per far entrare la cartuccia e chiudere lo sportello.
Un pannello viene visualizzato sul lato sinistro della schermata per mostrare le informazioni ottenute dai materiali di consumo scannerizzati.

Accesso a BaseSpace Sequence Hub

La schermata BaseSpace Sequence Hub viene visualizzata quando il sistema è configurato per il Run Monitoring (Monitoraggio della corsa) o per Run Monitoring and Storage (Monitoraggio e archiviazione della corsa).

- 1 Per scollegare l'attuale corsa da BaseSpace Sequence Hub, selezionare **Skip BaseSpace Sequence Hub Sign In** (Salta l'accesso a BaseSpace Sequence Hub).
I dati delle prestazioni dello strumento sono ancora inviate a Illumina.
- 2 Per modificare la connessione per l'attuale corsa, selezionare un'opzione Configuration (Configurazione):
 - ▶ **Run Monitoring Only** (Solo monitoraggio della corsa): invia solo i file InterOp a BaseSpace Sequence

Hub per consentire il monitoraggio a distanza.

- ▶ **Run Monitoring and Storage** (Monitoraggio e archiviazione della corsa): invia i dati della corsa a BaseSpace Sequence Hub per il monitoraggio e l'analisi a distanza.
- 3 Immettere le credenziali per BaseSpace Sequence Hub, quindi selezionare **Sign In** (Accedi).
 - 4 Viene visualizzato l'elenco Available Workgroups (Gruppi di lavoro disponibili), selezionare un gruppo di lavoro a cui inviare i dati della corsa.
L'elenco viene visualizzato quando l'utente appartiene a più gruppi di lavoro.
 - 5 Selezionare **Run Setup** (Imposta corsa).

Immissione dei parametri della corsa

- 1 Nel campo Run Name (Nome corsa), immettere un nome univoco prescelto per identificare la corsa attuale.
Il nome della corsa può contenere caratteri alfanumerici, trattini e trattini bassi.
- 2 Per Read Type (Tipo lettura), selezionare una delle opzioni seguenti:
 - ▶ **Single Read** (Lettura unidirezionale): esegue una lettura di sequenziamento, ossia l'opzione più semplice e veloce.
 - ▶ **Paired End** (Paired-end): esegue due letture di sequenziamento, che generano dati di qualità più elevata e consentono di eseguire un allineamento più accurato.
- 3 Per Read Cycle (Ciclo lettura), immettere il numero di cicli da eseguire in ogni lettura.
 - ▶ Per Read 1 (Lettura 1) e Read 2 (Lettura 2) aggiungere un ciclo al numero di cicli desiderato.
 - ▶ Per una corsa solo con PhiX, immettere **0** in entrambi i campi dell'indice.

Letture	Numero di cicli
Read 1 (Lettura 1)	26-151
Index 1 (Indice 1)	Fino a 10
Index 2 (Indice 2)	Fino a 10
Read 2 (Lettura 2)	26-151

Read 2 (Lettura 2) presenta di solito lo stesso valore di Read 1 (Lettura 1), incluso il ciclo in più. Index 1 (Indice 1) sequenzia l'adattatore indice i7 e Index 2 (Indice 2) sequenzia l'adattatore indice i5.

- 4 Per specificare una cartella degli output per l'attuale corsa o caricare un foglio campioni, selezionare **Advanced** (Avanzato):
 - ▶ Nel campo Output Folder (Cartella degli output), immettere il percorso alla posizione della cartella degli output o selezionare **Browse** (Sfoglia) per cercare.
 - ▶ Nel campo Sample Sheet (Foglio campioni), immettere il percorso alla posizione della cartella degli output o selezionare **Browse** (Sfoglia) per cercare.
- 5 Selezionare **Start Run** (Avvia corsa) per avviare la verifica pre-corsa.

Revisione delle verifiche pre-corsa

Le verifiche pre-corsa includono una verifica dello strumento e una verifica del flusso. La verifica del flusso forna i sigilli della cartuccia e fa passare il reagente nella cella a flusso, in questo modo i materiali di consumo non possono essere riutilizzati dopo l'avvio della verifica del flusso.

- 1 Il completamento delle verifiche pre-corsa impiegano circa 15 minuti.
Dopo il corretto completamento, la corsa viene avviata automaticamente. Se il sistema non è stato silenziato, un segnale acustico indica che la corsa è stata avviata.

**ATTENZIONE**

L'apertura dello sportello durante la verifica pre-corsa o durante la corsa può causare una mancata riuscita della corsa.

- Se si verifica un errore durante la verifica dello strumento, selezionare **Retry** (Riprova) per ripetere la verifica.
La verifica dello strumento precede la verifica della portata. Quando una verifica è in corso, la barra è animata.
- Se un errore persiste, vedere *Risoluzione dei messaggi di errore a pagina 46* per risolvere il problema.

Monitoraggio del progresso della corsa

- Monitorare il progresso della corsa e le metriche mentre vengono visualizzate sulla schermata Sequencing (Sequenziamento) dopo il ciclo 26.

Metrica	Descrizione
%Q30 (Read 1) (%Q30 - Lettura 1)	La percentuale delle identificazioni delle basi di Read 1 (Lettura 1) con un punteggio qualitativo di ≥ 30 .
%Q30 (Read 2) (%Q30 - Lettura 2)	La percentuale delle identificazioni delle basi di Read 2 (Lettura 2) con un punteggio qualitativo di ≥ 30 .
% Cluster PF (% di cluster che attraversano il filtro)	La percentuale di cluster che attraversano i filtri di qualità.
%Occupancy (% presenza)	La percentuale di pozzetti della cella a flusso che contengono i cluster.
Projected Total Yield (Resa totale prevista)	Il numero di identificazioni delle basi previsto per la corsa.

- Per monitorare la copia dei file e altri processi della corsa, selezionare il menu del software di controllo, quindi selezionare **Process Management** (Gestione processo).

Scaricamento dei materiali di consumo

- Al termine del sequenziamento, selezionare **Eject Cartridge** (Espelli cartuccia).
Il software espelle la cartuccia usata dallo strumento.
- Rimuovere la cartuccia dal vassoio.
- Rimuovere la cella a flusso dalla cartuccia.
- Smaltire la cella a flusso, che contiene componenti elettronici, in base agli standard applicabili nella propria regione.
- Smaltire la cartuccia, che contiene reagenti usati, in base agli standard applicabili nella propria regione.
Un lavaggio post-corsa non è necessario perché la fluidica viene smaltita con la cartuccia.

**AVVERTENZA**

Questo set di reagenti contiene materiali chimici potenzialmente pericolosi. L'inalazione, l'ingestione, il contatto con la pelle o con gli occhi possono causare lesioni personali. Indossare l'attrezzatura protettiva, inclusi protezione per gli occhi, guanti e indumento da laboratorio appropriato per evitare i rischi di esposizione. Manipolare i reagenti usati come rifiuti chimici e smaltirli in base alle leggi e alle regolamentazioni applicabili a livello regionale, nazionale e locale. Per ulteriori informazioni ambientali, di salute e di sicurezza, vedere le SDS alla pagina Web support.illumina.com/sds.html.

- 6 Selezionare **Close Door** (Chiudi sportello) per ricaricare il vassoio e tornare alla schermata Home (Inizio). Il software ricarica automaticamente il vassoio e i sensori confermano la rimozione della cartuccia.

Capitolo 4 Manutenzione

Liberazione di spazio su disco rigido	34
Aggiornamenti del software	34
Sostituzione del filtro dell'aria	36
Riposizionamento dello strumento	37

Liberazione di spazio su disco rigido

Una corsa di sequenziamento richiede circa 2 GB di spazio su disco rigido. Quando lo spazio è ridotto, utilizzare la seguente procedura per eliminare le corse completate e liberare spazio.

- 1 Dal menu del software di controllo, selezionare **Process Management** (Gestione processo).
La schermata Process Management (Gestione processo) viene visualizzata con un elenco delle corse salvate sul disco rigido.
- 2 Selezionare **Delete** (Elimina) per le corse che si desidera eliminare.
L'eliminazione di una corsa elimina la cartella locale della corsa. La cartella degli output, che è una copia della cartella della corsa, viene mantenuta.
- 3 Nella finestra di dialogo, selezionare **Yes** (Sì) per confermare l'eliminazione della corsa.
- 4 Ripetere i passaggi 2 e 3 per ogni corsa che si desidera eliminare.
- 5 Una volta terminato, chiudere Process Management (Gestione processo) per tornare alla schermata Sequencing (Sequenziamento).

Aggiornamenti del software

L'aggiornamento del software assicura che il sistema disponga delle ultime caratteristiche e correzioni. Gli aggiornamenti software sono raggruppati in una System Suite, che include i seguenti software:

- ▶ iSeq Control Software
- ▶ Ricette del sistema iSeq 100
- ▶ Universal Copy Service
- ▶ Real-Time Analysis (RTA)
- ▶ Local Run Manager (solo framework)



NOTA

Sebbene Local Run Manager sia incluso nella System Suite, i moduli di analisi non lo sono. Installare i moduli separatamente in base a necessità utilizzando l'account sbsadmin. Accedere al software del modulo di analisi dalle pagine di supporto di Local Run Manager.

Il sistema è configurato per il download automatico o manuale degli aggiornamenti del software:

- ▶ **Automatic updates** (Aggiornamenti automatici): gli aggiornamenti sono scaricati automaticamente da BaseSpace Sequence Hub per l'installazione. Questa opzione richiede una connessione Internet, ma non un account BaseSpace Sequence Hub.
- ▶ **Manual updates** (Aggiornamenti manuali): gli aggiornamenti sono scaricati manualmente dal Web, salvati localmente o su un dispositivo portatile, quindi installati dalla posizione in cui sono stati salvati. Questa opzione non richiede una connessione Internet.

Installazione di un aggiornamento automatico del software

- 1 Passare all'account del sistema operativo sbsadmin.
- 2 Selezionare il menu del software di controllo, quindi selezionare **Software Update** (Aggiornamento software) per aprire la finestra di dialogo Software Update (Aggiornamento software).
I sistemi configurati per gli aggiornamenti automatici visualizzano un'allerta quando è disponibile un aggiornamento del software.
- 3 Per controllare se è disponibile un aggiornamento, selezionare una delle seguenti opzioni:
 - ▶ **Check for Update** (Verifica aggiornamento): verifica se è presente un aggiornamento del software.
 - ▶ **Autocheck for Updates** (Verifica automatica aggiornamento): verifica se è presente un aggiornamento del software e configura il sistema per verificare automaticamente la presenza di futuri aggiornamenti del software.Queste opzioni sono visibili sui sistemi collegati a Internet ma non configurati per gli aggiornamenti automatici.
- 4 Selezionare **Update** (Aggiorna) per scaricare la nuova versione del software.
Al termine del download, il software di controllo si chiude e viene visualizzata la creazione guidata all'installazione.
- 5 Nella creazione guidata all'installazione, selezionare **Install** (Installa).



NOTA

Se si annulla un aggiornamento prima del completamento dell'installazione, l'aggiornamento viene arrestato in quel preciso punto dell'installazione. Qualsiasi modifica eseguita fino a questo punto di interruzione viene ripristinata alla versione precedente o non viene installato l'aggiornamento.

- 6 Al termine dell'installazione, selezionare **Close** (Chiudi).
- 7 Se viene visualizzato Registry Editor (Editor registro), selezionare **Yes** (Sì).
Il software di controllo viene riavviato automaticamente. Dopo il riavvio, qualsiasi aggiornamento firmware viene eseguito automaticamente.

Installazione di un aggiornamento manuale del software

- 1 Passare all'account del sistema operativo sbsadmin.
- 2 Quando è disponibile un aggiornamento del software, scaricare l'installer (*.exe) dalla **pagina di supporto del sistema di sequenziamento iSeq 100**. Salvare l'installer su una posizione locale o su un'unità portatile.
- 3 Se l'installer è stato salvato su un'unità portatile, collegare l'unità a una porta USB nella parte posteriore dello strumento. Spostare lo strumento in base alle esigenze, per accedere alla parte posteriore.
- 4 Dal software di controllo, selezionare **Software Update** (Aggiornamento software) dal menu del software di controllo.
- 5 Nella finestra di dialogo Software Update (Aggiornamento software), espandere **Install from local or portable drive** (Installare da un'unità locale o portatile).
- 6 Selezionare **Browse** (Sfogliare) per andare alla posizione dell'installer.
- 7 Selezionare **Update** (Aggiorna) per avviare l'installazione.
Il software di controllo si chiude e viene visualizzata la creazione guidata all'installazione.
- 8 Nella creazione guidata all'installazione, selezionare **Install** (Installa).



NOTA

Se si annulla un aggiornamento prima del completamento dell'installazione, l'aggiornamento viene arrestato in quel preciso punto dell'installazione. Qualsiasi modifica eseguita fino a questo punto di interruzione viene ripristinata alla versione precedente o non viene installato l'aggiornamento.

- 9 Al termine dell'installazione, selezionare **Close** (Chiudi).
- 10 Se viene visualizzato Registry Editor (Editor registro), selezionare **Yes** (Sì).
Il software di controllo viene riavviato automaticamente. Dopo il riavvio, qualsiasi aggiornamento firmware viene eseguito automaticamente.

Sostituzione del filtro dell'aria

Il filtro dell'aria è un pezzo di polistirolo monouso che copre le due ventole sulla parte posteriore dello strumento. Assicura la ventilazione corretta e impedisce l'entrata di residui nel sistema. Lo strumento è spedito con un filtro dell'aria installato e un filtro di ricambio. Ulteriori parti di ricambio sono incluse nella garanzia o possono essere acquistate presso Illumina.

Il software suggerisce di cambiare il filtro dell'aria ogni sei mesi a partire dall'impostazione iniziale. Utilizzare le seguenti istruzioni per sostituire un filtro dell'aria scaduto.

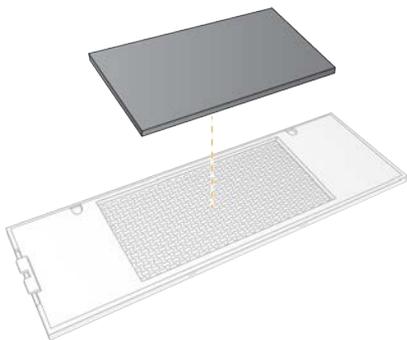
- 1 Posizionare lo strumento in modo che la parte posteriore sia facilmente raggiungibile.
- 2 Sulla parte posteriore dello strumento, premere il lato destro del pannello superiore per sganciarlo come mostrato nell'immagine successiva.



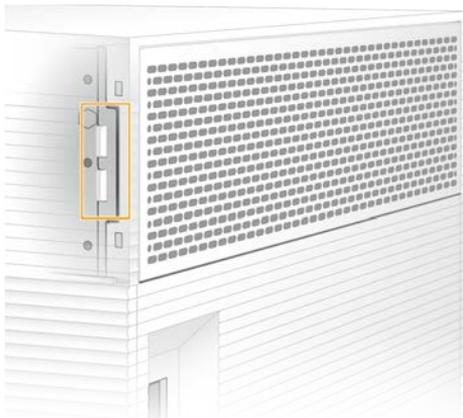
- 3 Rimuovere il pannello dallo strumento.



- 4 Rimuovere il filtro dell'aria in polistirolo dal centro del pannello e smaltirlo.



- 5 Collocare un nuovo filtro dell'aria nel pannello e premere per bloccarlo in posizione.
- 6 Inserire i due ganci del pannello nei fori dello strumento e premerlo in posizione.



- 7 Rimettere lo strumento nella sua posizione.
- 8 Selezionare **Filter Changed** (Filtro sostituito) per procedere.

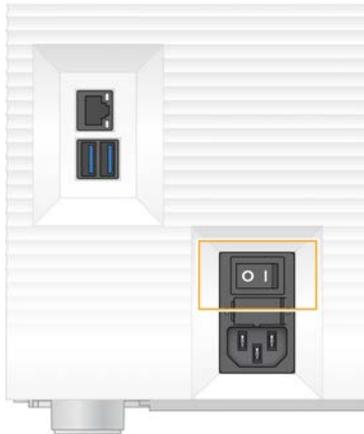
Riposizionamento dello strumento

Utilizzare le istruzioni seguenti per riposizionare in sicurezza lo strumento. Assicurarsi che la nuova posizione soddisfi i requisiti descritti nella *Guida alla preparazione della sede di installazione per il sistema di sequenziamento iSeq 100* (documento n. 1000000035337).

Se uno strumento deve essere restituito, saltare questa sezione e vedere *Scambio avanzato* a pagina 54.

- 1 Dal menu, selezionare **Shut Down System** (Spegni sistema).
- 2 Se il sistema non si spegne, tenere premuto il pulsante di accensione che si trova sulla sinistra dello strumento fino a quando si dissolve la luce.
- 3 Quando il pulsante di accensione lampeggia, premere il lato di spegnimento (O) del pulsante che si trova sul pannello posteriore.
Dopo lo spegnimento, il pulsante di accensione potrebbe continuare a lampeggiare.

Figura 7 Posizione del pulsante di accensione/spegnimento



- 4 Scollegare il cavo di alimentazione dalla presa a muro, quindi dalla presa di alimentazione c.a. che si trova sul pannello posteriore.
- 5 Se applicabile, scollegare il cavo Ethernet dalla presa a muro, quindi dalla porta Ethernet che si trova sul pannello posteriore.
- 6 Abbassare il monitor.
- 7 Riposizionare lo strumento nella posizione desiderata.
Lo strumento pesa 15,9 kg e deve essere sollevato da due persone.
- 8 Sollevare il monitor.
- 9 Se lo strumento è collegato a una rete, collegare il cavo Ethernet a una porta Ethernet.
- 10 Collegare il cavo di alimentazione alla presa c.a. sul pannello posteriore e a una presa a muro.
- 11 Premere il lato di accensione (I) del pulsante di accensione/spegnimento.

12 Quando il pulsante di accensione lampeggia, premerlo.

Figura 8 Posizione del pulsante di accensione



13 Quando il sistema operativo è caricato, accedere a Windows.

Il software di controllo si avvia e inizializza il sistema. Al termine dell'inizializzazione viene visualizzata la schermata Home (Inizio).

Appendice A Output di sequenziamento

Descrizione generale di Real-Time Analysis	40
Flusso di lavoro di Real-Time Analysis	42

Descrizione generale di Real-Time Analysis

Il software Real-Time Analysis viene eseguito sul computer di controllo dello strumento. Durante una corsa di sequenziamento, estrae le intensità dalle immagini per eseguire l'identificazione delle basi, quindi assegna un punteggio qualitativo all'identificazione delle basi.

Il sistema di sequenziamento iSeq 100 utilizza l'implementazione di RTA2 di Real-Time Analysis. RTA2 e il software di controllo comunicano mediante un'interfaccia HTTP sul Web e condividono file di memoria. Se RTA2 viene terminato, l'elaborazione non riprende e i dati della corsa non vengono salvati.



NOTA

Le prestazioni di demultiplex non sono calcolate e la scheda Index (Indice) di Sequencing Analysis Viewer non viene popolata.

File di input

RTA2 richiede i seguenti file di input per l'elaborazione:

- ▶ Le immagini delle tile contenute nella memoria locale del sistema.
- ▶ Il file di configurazione **Real-Time Analysis** in formato XML.
- ▶ **RunInfo.xml**, che il software di controllo genera automaticamente all'inizio della corsa.

RTA2 riceve i comandi dal software di controllo che includono informazioni relative alla posizione del **RunInfo.xml** e se è stata specificata una cartella degli output. Da **RunInfo.xml**, RTA2 legge il nome della corsa, il numero di cicli, se una lettura è indicizzata e il numero di tile sulla cella a flusso.

File di output

Le immagini vengono trasferite nella memoria di RTA2 sotto forma di tile, ossia piccole aree di imaging sulla cella a flusso definite dalla visualizzazione di una videocamera. La cella a flusso iSeq 100 i1 dispone di 16 tile.

In base a queste immagini, RTA2 genera un set di output primari sotto forma di file di identificazione delle basi qualitativamente valutate e di file filtro. Altri file supportano la generazione di output primari.

Tipo di file	Descrizione, posizione e nome del file
File di identificazione delle basi	Ciascuna tile analizzata è inclusa in un file di identificazione delle basi, aggregata in un file per ciclo. Il file aggregato contiene l'identificazione delle basi e il punteggio qualitativo associato per ogni cluster. Data\Intensities\BaseCalls\L001 [Ciclo].bcl.bgzf, dove [ciclo] rappresenta il numero del ciclo in formato a quattro cifre. I file di identificazione delle basi sono compressi usando gzip.
File indice identificazione delle basi	Un file indice dell'identificazione delle basi conserva le informazioni originarie delle tile. Per ciascuna tile, il file indice contiene il numero della tile e il numero dei cluster. Data\Intensities\BaseCalls\L001 [Ciclo].bcl.bgzf.bci
File posizioni cluster	Un file posizione cluster (s.locs) contiene le coordinate X,Y per ogni cluster sulla cella a flusso. Data\Intensities s.locs

Tipo di file	Descrizione, posizione e nome del file
File filtro	I file filtro specificano se i cluster hanno superato il filtro. Per ogni tile, viene generato un file filtro. I file filtro sono generati al ciclo 26 utilizzando 25 cicli di dati. Data\Intensities\BaseCalls\L001 s_[corsia].filter
File InterOp	Le metriche in tempo reale della qualità della corsa che vengono aggiornate per tutta la durata della corsa. Questi file binari contengono tile, ciclo e metriche a livello di lettura e sono necessari per visualizzare le metriche in Sequencing Analysis Viewer. Cartella InterOp
File configurazione RTA	Elenco i parametri per la corsa. Creato all'inizio della corsa, il file unisce i valori ottenuti dal file di configurazione degli input e i valori definiti da RTA2. [Cartella della corsa - livello base], RTAConfiguration.xml
File informazioni corsa*	Elenco il nome della corsa, il numero di cicli in ciascuna lettura, se la lettura è un Index Read (Lettura indici) e il numero di strisce e tile. Viene creato all'inizio della corsa. [Cartella della corsa - livello base], RunInfo.xml
File immagini in miniatura (thumbnail)	Immagini in miniatura delle tile della cella a flusso. Images\L001\C[X.1]: i file sono archiviati in una cartella per ciascuna corsia e una sotto cartella per ciascun ciclo. s_[corsia]_[tile].jpg: l'immagine in miniatura include il numero della tile.

* Creato dal software di controllo. RTA2 crea tutti gli altri file elencati in questa tabella.

Local Run Manager e BaseSpace Sequence Hub convertono automaticamente i file di identificazione della basi in file FASTQ. Se il sequenziamento viene eseguito in modalità Manual (Manuale), utilizzare l'ultima versione del software di conversione bcl2fastq2 per convertire i file FASTQ. Scaricare il software [dalle pagine di supporto del software di conversione bcl2fastq](#) sul sito Web Illumina.

Nome e percorso della cartella degli output

Per ogni corsa, il software di controllo genera automaticamente una cartella degli output e una cartella della corsa. È possibile accedere ai dati della corsa dalla cartella degli output, che è una copia della cartella della corsa. La cartella della corsa viene utilizzata dal sistema.

Il percorso alla cartella degli output è definita dall'utente, ma si trova, per impostazione predefinita, in D:\. Il software di controllo denomina la cartella degli output utilizzando il seguente formato.

Formato	Esempio
<AAAAMMG>_<ID strumento>_<Numero corsa>_<ID cella a flusso>	20180331_FFSP247_4_BNS417-05-25-12

Il numero della corsa aumenta di uno ogni volta che il sistema esegue una corsa. I numeri di serie identificano lo strumento e la cella a flusso.

Struttura della cartella degli output

- 📁 **Recipe:** il file della ricetta specifico per la corsa.
- 📁 **Logs:** i file di registro che descrivono l'analitica dello strumento, le fasi del funzionamento e altri eventi.
- 📁 **Config:** le impostazioni di configurazione per la corsa.
- 📄 RunParameters.xml
- 📄 RunInfo.xml
- 📄 CopyComplete.txt
- 📄 RunCompletionStatus.txt
- 📄 RTAComplete.txt
- 📄 RTAConfiguration.xml
- 📁 **Data**
 - 📁 **Intensities**
 - 📁 **BaseCalls**
 - 📁 **L001**
 - 📄 s.locs
- 📁 **InterOp**
- 📁 **Images**
- 📄 SampleSheet.csv: il foglio campioni o il file manifest del campione.
- 📁 **RTALogs:** i file di registro che descrivono gli eventi di RTA2.

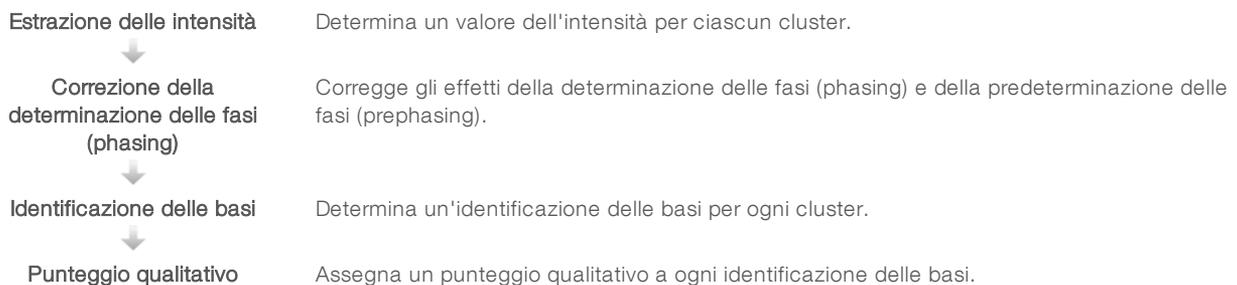
Gestione degli errori

RTA2 crea file di registro e li scrive nella cartella RTALogs. Gli errori vengono registrati in un file di errori nel formato file TSV.

I seguenti file di registro e di errori sono trasferiti alla destinazione di output finale al termine dell'elaborazione:

- ▶ *GlobalLog*.tsv riassume importanti eventi della corsa.
- ▶ *Error*.tsv elenca gli errori che si sono verificati durante una corsa.
- ▶ *WarningLog*.tsv elenca gli avvertimenti che si sono verificati durante una corsa.

Flusso di lavoro di Real-Time Analysis



Estrazione delle intensità

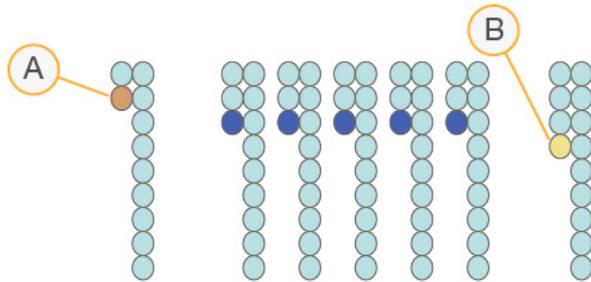
L'estrazione delle intensità calcola il valore dell'intensità per ciascun nanopozzetto in una data immagine.

Correzione della determinazione delle fasi (phasing)

Durante la reazione di sequenziamento, ciascun filamento di DNA in un cluster si estende di una base per ciclo. La determinazione delle fasi (phasing) e la predeterminazione delle fasi (prephasing) si verificano quando un filamento fuoriesce dalla fase con il ciclo di incorporazione attuale.

- ▶ La determinazione delle fasi (phasing) si verifica quando una base rimane indietro.
- ▶ La predeterminazione delle fasi (prephasing) si verifica quando una base salta in avanti.

Figura 9 Determinazione delle fasi (phasing) e predeterminazione delle fasi (prephasing)



- A Lettura con una base nella determinazione delle fasi (phasing)
- B Lettura con una base nella predeterminazione delle fasi (prephasing)

RTA2 corregge gli effetti della determinazione delle fasi (phasing) e della predeterminazione delle fasi (prephasing) che massimizza la qualità dei dati a ogni ciclo per tutta la corsa.

Identificazione delle basi

L'identificazione delle basi determina una base (A, C, G o T) per ogni cluster di una data tile a un ciclo specifico. Il sistema iSeq 100 utilizza il sequenziamento a singolo colorante, che richiede un colorante e due immagini per codificare i dati per le quattro basi.

Le intensità estratte da un'immagine e confrontate con un'altra immagine forniscono quattro popolazioni distinte, ciascuna corrispondente a un nucleotide. L'identificazione delle basi determina a quale popolazione appartiene ogni cluster.

Figura 10 Visualizzazione delle intensità dei cluster

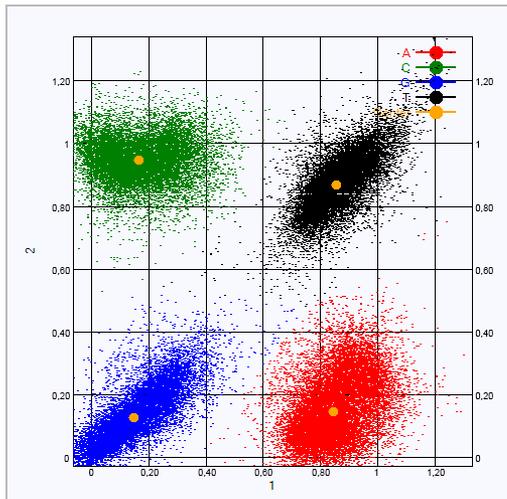


Tabella 1 Identificazione delle basi nel sequenziamento a singolo colorante

Base	Colorante nella prima immagine	Colorante nella seconda immagine	Conclusione del confronto delle immagini
T	Acceso	Acceso	Cluster che mostrano intensità in entrambe le immagini sono basi T.
A	Acceso	Spento	I cluster che mostrano intensità solo nella prima immagine sono basi A.
C	Spento	Acceso	I cluster che mostrano intensità solo nella seconda immagine sono basi C.
G	Spento	Spento	I cluster che non mostrano intensità in alcuna delle due immagini sono basi G.

Cluster che attraversano il filtro

Durante la corsa, RTA2 filtra i dati non elaborati e rimuove le letture che non soddisfano la soglia per la qualità dei dati. I cluster sovrapposti o di bassa qualità vengono rimossi.

Per il sequenziamento a singolo colorante, RTA2 utilizza un sistema basato sulla popolazione per determinare il valore chastity (misurazione della purezza dell'intensità) di un'identificazione delle basi. I cluster attraversano il filtro (PF) quando non più di un'identificazione delle basi nei primi 25 cicli presenta un valore chastity inferiore alla soglia fissata.

L'allineamento PhiX viene eseguito al ciclo 26 su un sottogruppo di tile per i cluster che hanno attraversato il filtro. I cluster che non attraversano il filtro non sono identificati come basi e non vengono allineati.

Letture indici

La procedura di identificazione delle basi per le letture indici è diversa rispetto all'identificazione delle basi delle letture di sequenziamento. I primi due cicli di una Index Read (Lettura indici) non possono iniziare con due basi G, altrimenti non verrà generata l'intensità. Per assicurare prestazioni di demultiplex, l'intensità deve essere presente in uno dei primi due cicli.

Assicurarsi che **almeno** una sequenza adattatore indice in un raggruppamento in pool delle librerie non parta con due basi G. Selezionare sequenze adattatori indici bilanciate in modo che il segnale sia presente in almeno un'immagine (è preferibile in entrambe le immagini) per ogni ciclo. Il layout della piastra e le sequenze fornite in IDT per gli indici TruSeq UD Illumina sono progettati per fornire il bilanciamento corretto.

Per maggiori informazioni sull'indicizzazione e sul raggruppamento in pool, vedere *Index Adapter Pooling Guide* (documento n. 1000000041074) (Guida alla creazione di raggruppamenti in pool per gli adattatori indici).

Punteggio qualitativo

Un punteggio qualitativo (Q-score) è una previsione della probabilità di un'identificazione delle basi errata. Un punteggio qualitativo superiore implica che un'identificazione delle basi presenta una qualità superiore ed è più probabile che sia corretta.

Il punteggio qualitativo permette di comunicare velocemente la probabilità di piccoli errori. Q(X) rappresenta i punteggi qualitativi, dove X è il punteggio. La tabella seguente illustra la relazione fra il punteggio qualitativo e la probabilità di errore.

Punteggio qualitativo Q(X)	Probabilità di errore
Q40	0,0001 (1 su 10.000)
Q30	0,001 (1 su 1.000)
Q20	0,01 (1 su 100)
Q10	0,1 (1 su 10)



NOTA

Il punteggio qualitativo si basa su una versione modificata dell'algoritmo Phred.

Il punteggio qualitativo calcola un set valori per ciascuna identificazione delle basi, quindi utilizza questi valori per individuare il punteggio qualitativo in una tabella qualitativa. Le tabelle qualitative sono create per fornire previsioni di qualità accurate e ottimali per le corse generate da una specifica configurazione di una piattaforma di sequenziamento e versione della chimica.

Dopo la determinazione del punteggio qualitativo, i risultati vengono registrati nei file di identificazione delle basi.

Appendice B Risoluzione dei problemi

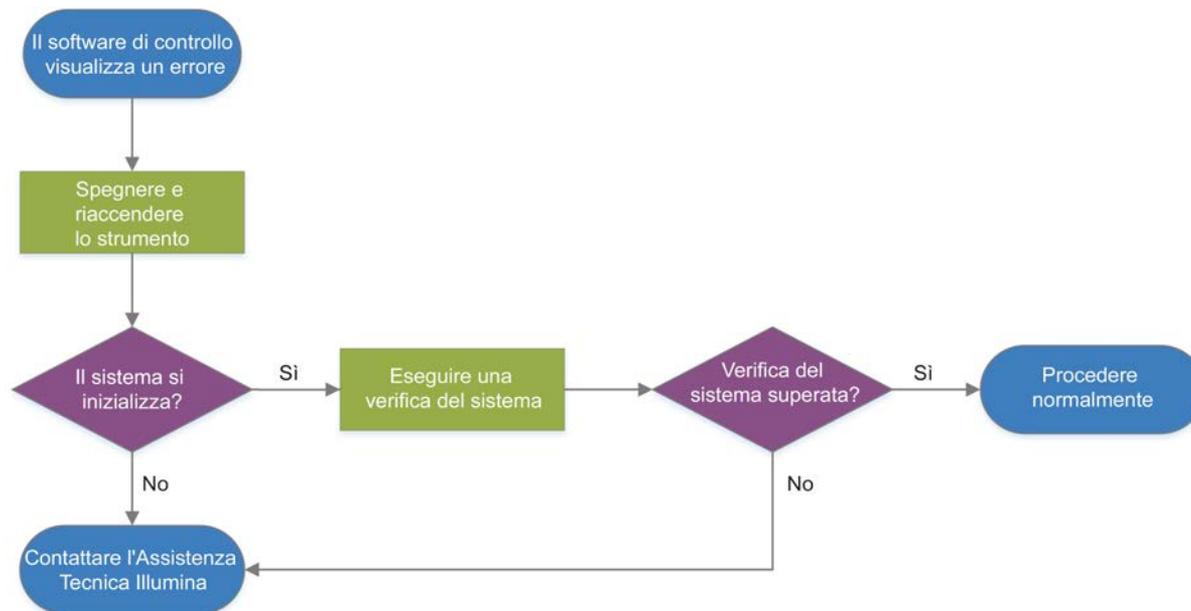
Risoluzione dei messaggi di errore	46
Annullamento di una corsa avviata	47
Spegnimento e riaccensione dello strumento	47
Esecuzione di una verifica del sistema	48
Limitazione delle perdite	50
Ripristino alle impostazioni di fabbrica	52

Risoluzione dei messaggi di errore

Questa appendice fornisce istruzioni dettagliate per le diverse procedure di risoluzione dei problemi. Il diagramma seguente mostra il flusso di lavoro per la risoluzione dei problemi inerenti i messaggi di errore che vengono visualizzati durante l'inizializzazione, l'impostazione della corsa, le verifiche pre-corsa o il sequenziamento per i quali un nuovo tentativo non ha risolto il problema.

Molti errori possono essere risolti con uno spegnimento e riaccensione: spegnimento dello strumento, quindi riavvio dello strumento. Altri richiedono una verifica del sistema per diagnosticare e risolvere il problema.

Figura 11 Descrizione generale dei messaggi di errore



Stato di Process Management (Gestione processo)

Per risolvere un eventuale problema di stato sulla schermata Process Management (Gestione processo):

- ▶ Se la corsa è in fase di elaborazione, chiudere la schermata Process Management (Gestione processo), attendere cinque minuti, quindi riaprire la schermata.
- ▶ Se la corsa non è in fase di elaborazione, spegnere e riaccendere lo strumento, quindi riaprire la schermata Process Management (Gestione processo). Vedere *Spegnimento e riaccensione dello strumento* a pagina 47.

Annullamento di una corsa avviata

Dopo l'avvio di una corsa, è possibile annullarla per terminare la corsa, espellere la cartuccia e tornare alla schermata Sequence (Sequenziamento).



ATTENZIONE

L'annullamento di una corsa è **definitivo**. Il software non può riprendere la corsa e i materiali di consumo non possono essere riutilizzati dopo che lo strumento ha controllato parte delle verifiche pre-corsa.

- 1 Selezionare **Stop Run** (Arresta corsa), quindi selezionare **Yes, cancel** (Sì, annulla). Viene visualizzata la schermata Sequencing Canceled (Sequenziamento annullato) con il timestamp contenente la data e l'ora di arresto della corsa.

- 2 Selezionare **Eject Cartridge** (Espelli cartuccia) per aprire lo sportello ed espellere il vassoio.

- 3 Rimuovere la cartuccia dal vassoio.

- 4 Conservare o smaltire la cartuccia, in base a quando si è verificato l'annullamento della corsa:

Circostanza	Istruzione
Annullamento eseguito prima o durante la verifica dello strumento e si desidera riutilizzare i materiali di consumo.	Lasciare la cella a flusso e la libreria nella cartuccia e mettere da parte, a temperatura ambiente, per un massimo di un ora.
In tutte le altre circostanze.	Rimuovere la cella a flusso dalla cartuccia. Smaltire entrambi i componenti in base agli standard applicabili nella propria regione. <ul style="list-style-type: none"> • La cella a flusso dispone di componenti elettronici. • La cartuccia contiene i reagenti usati e la libreria.

- 5 Selezionare **Close Door** (Chiudi sportello) per ricaricare il vassoio e tornare alla schermata Sequencing (Sequenziamento).

I sensori confermano la rimozione della cartuccia.

Spegnimento e riaccensione dello strumento

Lo spegnimento e la riaccensione dello strumento consentono di spegnere e riaccendere il sistema per ripristinare una connessione persa, allineare una specifica o di risolvere un'eventuale inizializzazione non riuscita. I messaggi del software indicano quando eseguire lo spegnimento e la riaccensione per risolvere un errore o un avvertimento.

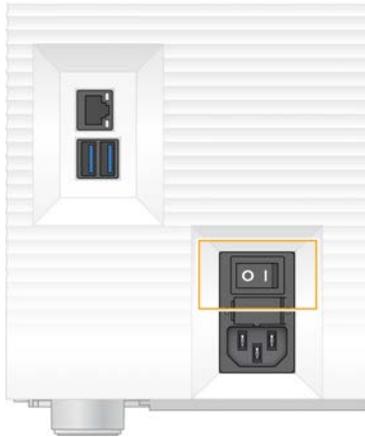
- 1 Dal menu, selezionare **Shut Down System** (Spegni sistema).

- 2 Se il sistema non si spegne, tenere premuto il pulsante di accensione che si trova sulla sinistra dello strumento fino a quando si dissolve la luce.

- 3 Quando il pulsante di accensione lampeggia, premere il lato di spegnimento (O) del pulsante che si trova sul pannello posteriore.

Dopo lo spegnimento, il pulsante di accensione potrebbe continuare a lampeggiare.

Figura 12 Posizione del pulsante di accensione/spengimento



- 4 Attendere 30 secondi.
- 5 Premere il lato di accensione (I) del pulsante di accensione/spengimento.
- 6 Quando il pulsante di accensione lampeggia, premerlo.

Figura 13 Posizione del pulsante di accensione



- 7 Quando il sistema operativo è caricato, accedere a Windows.
Il software di controllo si avvia e inizializza il sistema. Al termine dell'inizializzazione viene visualizzata la schermata Home (Inizio).

Esecuzione di una verifica del sistema

Una verifica del sistema impiega circa 45 minuti e utilizza la cella a flusso e la cartuccia per il test riutilizzabili per risolvere eventuali errori o problemi. Quattro test dei sotto sistemi confermano il corretto allineamento e funzionamento dei componenti.

Il normale funzionamento e la manutenzione non richiedono una verifica del sistema.

- 1 Rimuovere la cella a flusso e la cartuccia per il test riutilizzabili dal luogo di conservazione a temperatura ambiente.
- 2 Dal menu del software di controllo, selezionare **System Check** (Verifica del sistema).
La finestra di dialogo System Check (Verifica del sistema) viene visualizzata con i test meccanici, termici, ottici e dei sensori selezionati.
- 3 Selezionare **Unload** (Scarica) per aprire lo sportello dello scomparto della cartuccia ed espellere il vassoio.
- 4 Se presente, rimuovere la cartuccia usata dal vassoio.
- 5 Ispezionare la superficie in vetro della cella a flusso riutilizzabile per eventuale presenza di residui. Se sono presenti residui, pulirla nel modo seguente.
 - a Pulire la superficie del vetro con una salviettina imbevuta di alcol.
 - b Asciugare con un panno da laboratorio a bassissimo rilascio di particelle.
 - c Assicurarsi che la cella a flusso sia priva di particelle o fibre.

In circostanze normali, la cella a flusso per il test riutilizzabile non richiede pulizia.

- 6 Tenere la cella a flusso per il test riutilizzabile per le protuberanze con l'etichetta rivolta verso l'alto.
- 7 Inserire la cella a flusso per il test riutilizzabile nella slot situata nella parte anteriore della cartuccia per il test riutilizzabile.

Quando la cella a flusso è in posizione si avverte un "clic". Quando caricata correttamente, le protuberanze presenti sulla cartuccia e il vetro sono visibili dalla finestra di accesso.



- a Caricamento della cella a flusso per il test riutilizzabile
- b Cella a flusso per il test riutilizzabile caricata

- 8 Collocare la cartuccia per il test riutilizzabile sul vassoio in modo che la finestra di accesso sia rivolta verso l'alto e che la cella a flusso sia all'interno dello strumento.



- 9 Selezionare **Load** (Carica) per caricare la cartuccia per il test riutilizzabile e chiudere lo sportello.
- 10 Selezionare **Start** (Avvia) per avviare la verifica del sistema.
Durante la verifica del sistema, il software espelle e ritrae la cartuccia una volta e visualizza sullo schermo il numero rimanente di utilizzi. Entrambi i componenti per il test riutilizzabili sono validi per un massimo di 130 utilizzi.
- 11 Al termine della verifica del sistema, controllare se il test è stato superato o non superato.

Risultato	Indicazione	Intervento
All four tests passed (Tutti i quattro test sono stati superati)	Lo strumento funziona correttamente e il problema è probabilmente legato ai materiali di consumo o alla libreria.	Impostare una nuova corsa. Se i materiali di consumo della corsa precedente sono stati conservati, utilizzarli per la nuova corsa.
At least one test failed (Almeno un test non è stato superato)	Lo strumento potrebbe presentare un problema all'hardware.	Contattare l'Assistenza Tecnica Illumina.

- 12 Selezionare **Unload** (Carica) per espellere la cartuccia per il test riutilizzabile.
- 13 Rimuovere la cartuccia per il test riutilizzabile dal vassoio.
- 14 Rimuovere la cella a flusso per il test riutilizzabile dalla cartuccia.
- 15 Rimettere i componenti per il test riutilizzabili nella confezione originaria e conservarli a temperatura ambiente.
- 16 Chiudere la finestra di dialogo System Check (Verifica del sistema).

Limitazione delle perdite

Se durante una verifica pre-corsa o durante il sequenziamento si rilevano scarsa connessione della fluidica, problemi con la cartuccia o perdite, il software termina la corsa e visualizza un messaggio. Dopo aver valutato la perdita e pulito lo strumento, una verifica del sistema conferma che è possibile proseguire il normale funzionamento.

Un vassoio raccogliogocce alla base dello strumento raccoglie i fluidi fuoriusciti dalla cartuccia. Tuttavia, i fluidi fuoriusciti possono raggiungere altre aree del sistema. In condizioni normali, il vassoio raccogliogocce è asciutto.

Valutazione della perdita

- 1 Indossare un nuovo paio di guanti privi di polvere.



AVVERTENZA

Questo set di reagenti contiene materiali chimici potenzialmente pericolosi. L'inalazione, l'ingestione, il contatto con la pelle o con gli occhi possono causare lesioni personali. Indossare l'attrezzatura protettiva, inclusi protezione per gli occhi, guanti e indumento da laboratorio appropriato per evitare i rischi di esposizione. Manipolare i reagenti usati come rifiuti chimici e smaltirli in base alle leggi e alle regolamentazioni applicabili a livello regionale, nazionale e locale. Per ulteriori informazioni ambientali, di salute e di sicurezza, vedere le SDS alla pagina Web support.illumina.com/sds.html.

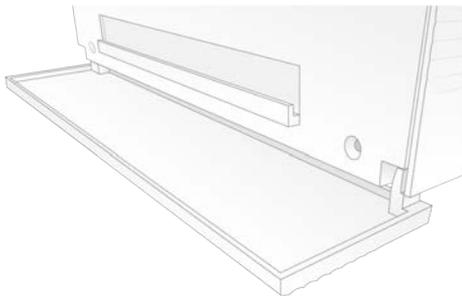
- 2 Attenersi alle istruzioni sullo schermo per espellere la cartuccia.
- 3 Ispezionare la cartuccia per eventuale fluido visibile.
È accettabile una piccola quantità di fluido (meno di 500 µl) sulla superficie in vetro della cella a flusso.
- 4 Se non è visibile fluido (o è presente una quantità di fluido accettabile), passare a *Pulizia dello strumento*.

In seguito alla pulizia, una verifica del sistema conferma il normale funzionamento.

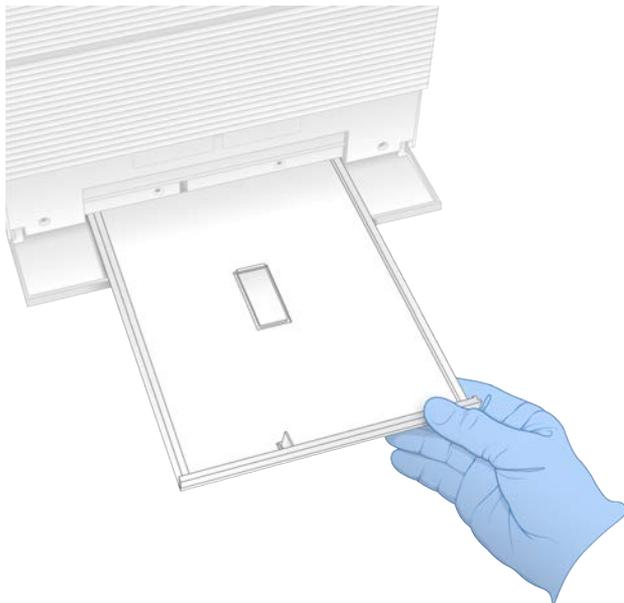
- 5 Se è visibile una quantità significativa di fluido sulla cella a flusso, sulla cartuccia o sullo strumento, spegnere e scollegare come di seguito indicato e contattare l'Assistenza Tecnica Illumina.
 - a Dal menu, selezionare **Shut Down System** (Spegni sistema).
 - b Se il comando di spegnimento non risponde, tenere premuto il pulsante di accensione che si trova sulla sinistra dello strumento fino a quando si dissolve la luce.
 - c Quando il pulsante di accensione lampeggia, premere il lato di spegnimento (**O**) del pulsante che si trova nella parte posteriore dello strumento.
 - d Attendere 30 secondi.
 - e Scollegare il cavo di alimentazione dalla presa a muro, quindi dalla presa di alimentazione c.a. che si trova sul pannello posteriore.
 - f Se applicabile, scollegare il cavo Ethernet dalla presa a muro, quindi dalla porta Ethernet che si trova sul pannello posteriore.

Pulizia dello strumento

- 1 Per sicurezza, spegnere e scollegare lo strumento:
 - a Dal menu, selezionare **Shut Down System** (Spegni sistema).
 - b Se il comando di spegnimento non risponde, tenere premuto il pulsante di accensione che si trova sulla sinistra dello strumento fino a quando si dissolve la luce.
 - c Quando il pulsante di accensione lampeggia, premere il lato di spegnimento (**O**) del pulsante che si trova nella parte posteriore dello strumento.
 - d Attendere 30 secondi.
 - e Scollegare il cavo di alimentazione dalla presa a muro, quindi dalla presa di alimentazione c.a. che si trova sul pannello posteriore.
 - f Se applicabile, scollegare il cavo Ethernet dalla presa a muro, quindi dalla porta Ethernet che si trova sul pannello posteriore.
- 2 Individuare lo sportello del vassoio raccogliocce che si trova sotto lo scomparto della cartuccia nella parte anteriore dello strumento, quindi abbassare lo sportello.



- 3 Aprire il vassoio raccogliocce e rimuovere il tappetino del vassoio raccogliocce.



- 4 Con della carta assorbente, asciugare eventuale fluido residuo nella parte inferiore del vassoio.
- 5 Smaltire il tappetino e altri materiali di consumo in base alle normative regionali applicabili. Per maggiori informazioni, vedere la scheda dei dati di sicurezza (Safety Data Sheet, SDS) alla pagina Web support.illumina.com/sds.html.
- 6 Posizionare un nuovo tappetino sul vassoio raccogliocce.
- 7 Chiudere il vassoio raccogliocce, quindi chiudere lo sportello del vassoio raccogliocce.
- 8 Asciugare eventuale fluido visibile sopra o attorno allo strumento utilizzando carta assorbente.
- 9 Accendere e ricollegare lo strumento nel modo seguente.
 - a Se applicabile, collegare il cavo Ethernet a una porta Ethernet.
 - b Collegare il cavo di alimentazione alla presa c.a. sul pannello posteriore e a una presa a muro.
 - c Premere il lato di accensione (I) del pulsante che si trova sul pannello posteriore.
 - d Quando il pulsante di accensione lampeggia, premerlo.
 - e Quando il sistema operativo è caricato, accedere a Windows.

Il software di controllo si avvia e inizializza il sistema. Al termine dell'inizializzazione viene visualizzata la schermata Home (Inizio).
- 10 Eseguire una verifica del sistema per confermare il normale funzionamento del sistema. Il superamento della verifica del sistema indica che lo strumento può riprendere il normale funzionamento. Per istruzioni, vedere *Esecuzione di una verifica del sistema* a pagina 48.

Ripristino alle impostazioni di fabbrica

Ripristinare il sistema alle impostazioni di fabbrica per declassare il software, recuperare da una configurazione indesiderata o eliminare i dati dell'utente prima della restituzione di uno strumento a Illumina. Il ripristino del sistema disinstalla il software di controllo e libera l'unità C.

- 1 Se il repository dei genomi di riferimento per Local Run Manager risiede sull'unità C:
 - a Spostare il repository su **D:\Illumina\Genomes** o su un'altra cartella locale o sulla rete e non sull'unità C.
 - b In Local Run Manager, reimpostare il percorso al repository su **D:\Illumina\Genomes** o su un'altra cartella locale o sulla rete e non sull'unità C. Per le istruzioni, vedere *Local Run Manager Software Guide (document # 100000002702)* (Guida al software Local Run Manager).
- 2 Riavviare Windows.
- 3 Quando suggerito di scegliere un sistema operativo, selezionare **Restore to Factory Settings** (Ripristina alle impostazioni di fabbrica).

Vengono visualizzate brevemente le opzioni dei sistemi operativi prima di procedere automaticamente con iSeq Control Software.
- 4 Il completamento del ripristino impiega circa 30 minuti.

Il ripristino può includere diversi riavvii. Al termine, il sistema viene riavviato con le impostazioni di fabbrica originarie, meno il software di controllo.
- 5 Installare il software di controllo:
 - a Scaricare l'installer del software dalle pagine di supporto del sistema di sequenziamento iSeq 100. Salvare l'installer su una posizione di rete o su un'unità USB.
 - b Copiare l'installer in **C:\Illumina**.
 - c Aprire **iSeqSuiteInstaller.exe**, quindi attenersi ai suggerimenti per eseguire l'installazione.
 - d Al termine dell'aggiornamento, selezionare **Finish** (Fine).
 - e Spegnere e riaccendere lo strumento. Per istruzioni, vedere *Spegnimento e riaccensione dello strumento a pagina 47*.
- 6 Attenersi ai suggerimenti sullo schermo per eseguire l'impostazione iniziale, inclusa la verifica del sistema con la cartuccia e la cella a flusso per il test riutilizzabili.
- 7 Installare qualsiasi modulo di analisi di Local Run Manager:
 - a Passare all'account del sistema operativo sbsadmin.
 - b Scaricare gli installer dei software dalle pagine di supporto di Local Run Manager. Salvare gli installer su una posizione di rete o su un'unità USB portatile.
 - c Copiare l'installer in **C:\Illumina**.
 - d Aprire l'installer (*.exe), quindi attenersi ai suggerimenti per eseguire l'installazione.
 - e Al termine dell'aggiornamento, selezionare **Finish** (Fine).

Appendice C Scambio avanzato

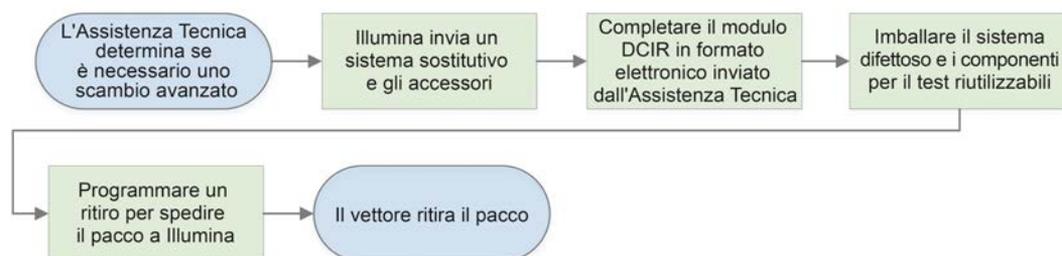
Introduzione	54
Ricezione di un sistema sostitutivo	54
Preparazione del sistema originario per la restituzione	55
Restituzione del sistema originario	58

Introduzione

Poiché il filtro dell'aria e il tappetino del vassoio raccogliogocce sono le sole parti riparabili del sistema iSeq 100, Illumina utilizza un sistema di scambio avanzato per risolvere problemi che non possono essere risolti a distanza.

Lo scambio avanzato sostituisce un sistema danneggiato o difettoso con un sistema ricondizionato. Per ridurre al minimo i tempi di fermo macchina, l'utente riceverà un sistema sostitutivo prima di spedire il sistema originario.

Figura 14 Descrizione generale dello scambio avanzato



Disponibilità regionale

Lo scambio avanzato è disponibile nella maggior parte delle regioni. Le altre regioni possono continuare a fare affidamento sugli ingegneri FSE. Rivolgersi all'Assistenza Tecnica Illumina per informazioni sui modelli supportati nella propria regione.

Ricezione di un sistema sostitutivo

- 1 Quando una verifica del sistema e altri tentativi di risoluzione dei problemi danno esito negativo, contattare l'Assistenza Tecnica Illumina.
 - ▶ Se possibile, eseguire un'altra verifica del sistema con una diversa cartuccia e cella a flusso per il test riutilizzabili.
 - ▶ Fornire i risultati della verifica del sistema all'Assistenza Tecnica.Se l'Assistenza Tecnica non è in grado di risolvere il problema a distanza, verrà avviata la procedura di restituzione e viene ordinato un sistema sostitutivo.
- 2 Alla ricezione del sistema sostitutivo:
 - ▶ Disimballarlo e installarlo in base al *Poster per l'impostazione del sistema di sequenziamento iSeq 100* (documento n. 1000000035963).
 - ▶ **Conservare tutto l'imballaggio**, che viene utilizzato per imballare e restituire il sistema originario e i componenti per il test riutilizzabili.
 - ▶ Mettere da parte i documenti di restituzione, che includono l'etichetta di restituzione UPS per tutte le spedizioni e la fattura commerciale per le spedizioni internazionali.

Preparazione del sistema originario per la restituzione

Restituire il sistema originario, la cartuccia per il test riutilizzabile e la cella a flusso per il test riutilizzabile a Illumina entro 30 giorni dalla ricezione dello strumento sostitutivo.

Rimozione dei dati e spegnimento

- 1 Se il sistema è acceso, salvare e rimuovere i dati nel modo seguente.
 - a Da File Explorer (Esplora file), copiare qualsiasi file e cartella che si desidera salvare su un'unità USB portatile.
 - b Eliminare qualsiasi file e cartella che non si desidera condividere con Illumina.

La posizione dei dati del sequenziamento è definita dall'utente, ma l'unità D è la posizione predefinita.

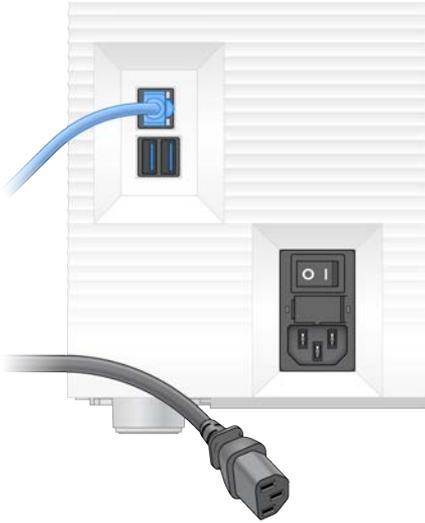
- 2 Spegner il sistema nel modo seguente.
 - a Dal menu, selezionare **Shut Down System** (Spegni sistema).
 - b Se il comando di spegnimento non risponde, tenere premuto il pulsante di accensione che si trova sulla sinistra dello strumento fino a quando si dissolve la luce.
 - c Quando il pulsante di accensione lampeggia, premere il lato di spegnimento (**O**) del pulsante che si trova nella parte posteriore dello strumento.

Disconnessione di file e cavi

- 1 Se nello strumento è presente una cartuccia, riavviare il sistema e rimuovere la cartuccia nel seguente modo.
 - a Premere il lato di accensione (**I**) del pulsante che si trova sul pannello posteriore.
 - b Quando il pulsante di accensione lampeggia, premerlo.
 - c Quando il sistema operativo è caricato, accedere a Windows.
 - d Dal menu del software di controllo, selezionare **System Check** (Verifica del sistema).
 - e Selezionare **Unload** (Scarica) per espellere la cartuccia, quindi rimuovere la cartuccia dal vassoio.
 - f Se l'espulsione non riesce, contattare l'Assistenza Tecnica Illumina per ulteriori istruzioni.
 - g Selezionare **Load** (Carica) per riportare in posizione il vassoio vuoto e chiudere lo sportello.
 - h Chiudere la finestra di dialogo System Check (Verifica del sistema), quindi spegnere il sistema.

Lo spegnimento e la riaccensione del sistema sono necessarie per mettere in posizione la cartuccia per la rimozione.

- 2 Scollegare il cavo di alimentazione dalla presa a muro, quindi dalla presa di alimentazione c.a. che si trova sul pannello posteriore.



- 3 Se applicabile, attenersi a quanto segue.
 - ▶ Scollegare il cavo Ethernet dalla presa a muro, quindi dalla porta Ethernet che si trova sul pannello posteriore.
 - ▶ Scollegare la tastiera e il mouse dalle porte USB che si trovano sul pannello posteriore.

Decontaminazione dello strumento

La spedizione di uno strumento richiede la seguente procedura di decontaminazione, che Illumina conferma come completata. I sistemi utilizzati in laboratorio con biosicurezza di livello 2 o 3 e i pericoli specifici per la sede potrebbero richiedere ulteriore decontaminazione.

Decontaminazione con candeggina

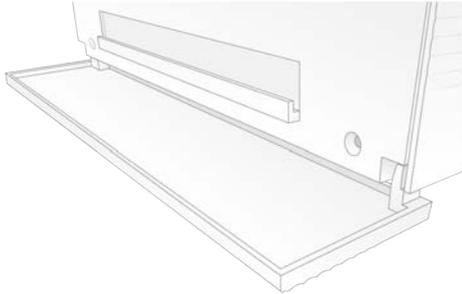
- 1 Indossare un nuovo paio di guanti privi di polvere.
- 2 Abbassare il monitor dello strumento.
- 3 Aprire delicatamente lo sportello dello scomparto della cartuccia a partire dalle cerniere laterali.



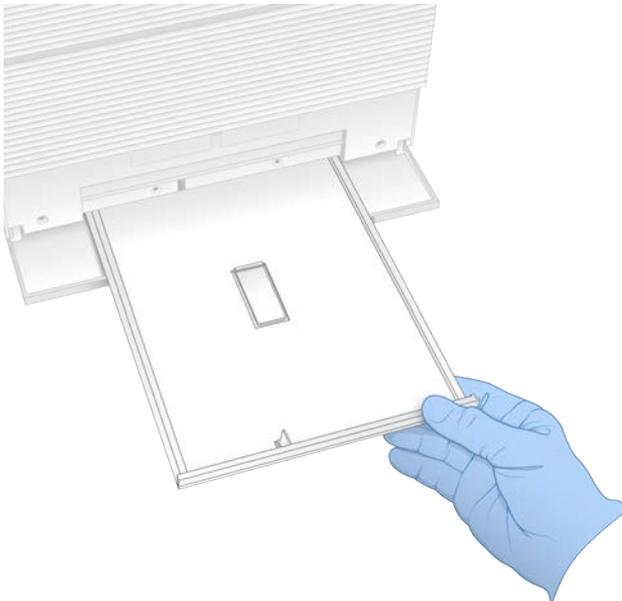
- 4 Pulire l'intero sportello dello scomparto con una salviettina imbevuta di candeggina:
 - ▶ Interno dello sportello
 - ▶ Esterno dello sportello

► Cerniere dello sportello

- 5 Chiudere lo sportello dello scomparto della cartuccia.
- 6 Individuare lo sportello del vassoio raccogliogocce che si trova sotto lo scomparto della cartuccia nella parte anteriore dello strumento, quindi abbassare lo sportello.



- 7 Aprire il vassoio raccogliogocce e rimuovere il tappetino del vassoio raccogliogocce.



- 8 Con della carta assorbente, asciugare eventuale fluido residuo nella parte inferiore del vassoio.
- 9 Smaltire il tappetino e altri materiali di consumo in base alle normative regionali applicabili.
Per maggiori informazioni, vedere la scheda dei dati di sicurezza (Safety Data Sheet, SDS) alla pagina Web support.illumina.com/sds.html.
- 10 Pulire il vassoio raccogliogocce con una salviettina imbevuta di candeggina.
- 11 Attendere 15 minuti affinché la candeggina inizi ad agire.

Neutralizzazione con alcol

- 1 Inumidire con acqua un panno o della carta assorbente.
È accettabile qualsiasi grado di acqua, inclusa l'acqua di rubinetto.
- 2 Asciugare i seguenti componenti con un panno inumidito o della carta assorbente:
 - Vassoio raccogliogocce
 - Sportello dello scomparto della cartuccia (interno, esterno, incluse le cerniere)

L'acqua impedisce la miscelazione di candeggina e alcol.

- 3 Pulire nuovamente i seguenti componenti con una salviettina imbevuta di alcol:

- ▶ Vassoio raccogli gocce
- ▶ Sportello dello scomparto della cartuccia (interno, esterno, incluse le cerniere)

L'alcol rimuove la candeggina residua, che può causare corrosione.

- 4 Assicurarsi che lo sportello del vassoio raccogli gocce e lo sportello dello scomparto della cartuccia siano chiusi.
- 5 Pulire il banco da laboratorio intorno allo strumento con salviettine inumidite in candeggina o con una soluzione di candeggina.

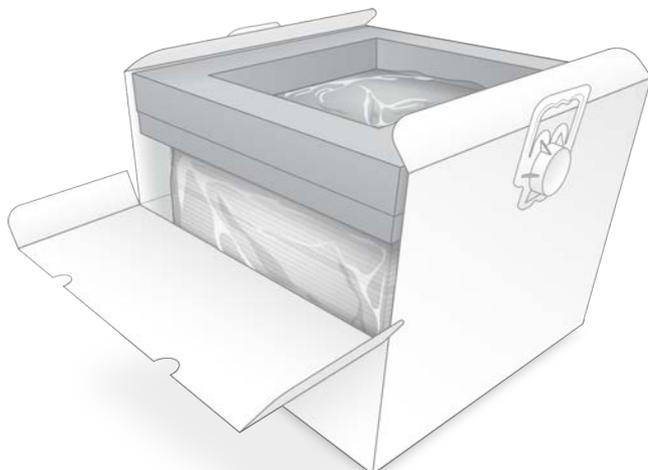
Restituzione del sistema originario

Imballaggio dello strumento

- 1 Nel laboratorio, liberare lo spazio necessario per lo strumento e la confezione.
- 2 Inserire la piccola protezione in polistirolo tra il monitor abbassato e lo strumento.
- 3 Posizionare la sacca grigia in plastica sopra lo strumento.



- 4 Abbassare la patta anteriore della scatola bianca.
- 5 Posizionare lo strumento nella scatola bianca in modo che la parte anteriore dello strumento sia rivolto verso l'utente.
- 6 Posizionare il quadrato in polistirolo sopra lo strumento in modo che i lati più sottili del polistirolo siano sulla parte anteriore e posteriore dello strumento. Assicurarsi che il polistirolo sia allineato con la parte superiore della scatola.



- 7 Chiudere la patta anteriore, quindi chiudere la parte superiore della scatola.

Imballaggio dei componenti per il test riutilizzabili

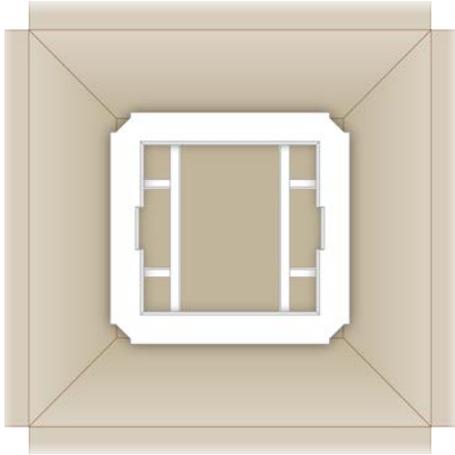
- 1 Mettere la cartuccia per il test riutilizzabile iSeq 100 nel sacchetto risigillabile più grande e sigillarla.
- 2 Mettere la cella a flusso per il test riutilizzabile iSeq 100 nella confezione a forma di conchiglia.
- 3 Mettere la confezione a forma di conchiglia nel sacchetto risigillabile più piccolo e sigillarla.
- 4 Mettere entrambi i sacchetti risigillabili nella scatola degli accessori del sistema di sequenziamento iSeq 100.



- 5 Chiudere la scatola degli accessori.

Spedizione del sistema

- 1 Se era stata rimossa, posizionare la base protettiva in polistirolo nella parte inferiore della scatola di spedizione marrone.



- 2 Sollevando la scatola bianca per le maniglie (è consigliabile utilizzare due persone), abbassare la scatola bianca nella scatola marrone. Qualsiasi orientamento è accettabile.

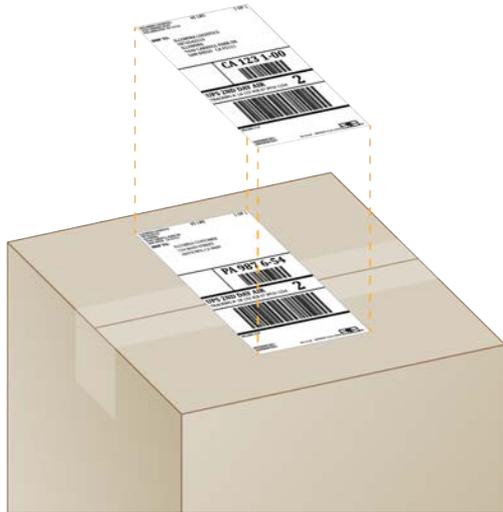


ATTENZIONE

La scatola bianca deve essere spedita all'interno della scatola marrone. La scatola bianca non è progettata o etichettata per la spedizione.

- 3 Collocare il coperchio protettivo in polistirolo sulla parte superiore della scatola bianca.
- 4 Collocare la scatola degli accessori nel centro del coperchio in polistirolo.
- 5 Collocare il tappetino nero in polistirolo sopra la scatola degli accessori.
- 6 Se l'Assistenza Tecnica Illumina richiede la restituzione del cavo di alimentazione, metterlo in qualsiasi posizione all'interno della scatola marrone.
- 7 Chiudere la scatola marrone e fermare con il nastro di spedizione.

- 8 Posizionare l'etichetta di restituzione sopra l'etichetta di spedizione originaria oppure rimuovere l'etichetta di spedizione originaria.



- 9 **[Spedizione internazionale]** Apporre la fattura internazionale alla scatola di spedizione.
- 10 Spedire lo strumento a Illumina mediante il corriere UPS.
 - ▶ Se il laboratorio dispone di consegne giornaliere programmate con UPS, dare al conducente la scatola di spedizione etichettata.
 - ▶ Se il laboratorio non dispone di consegne giornaliere con UPS, notificare il Servizio Clienti Illumina per programmare la spedizione di restituzione.

Indice

%

- %Clusters PF (% di cluster che attraversano il filtro) 29, 32
- %Occupancy (% presenza) 20, 29, 32
- %PF 20, 29, 32, 44

A

- abbonamento Enterprise 13
- accesso a distanza 26
- account amministratore 11
- account utente 11
- adattatori indice i5 31
- adattatori indice i7 31
- aggiornamenti automatici 34
- aggiornamenti firmware 35
- aggiornamenti manuali software 34
- algoritmo Phred 45
- alimentazione a.c.
 - presa 37
- alimentazione c.a.
 - presa 3, 51, 55
- allerte 34-35
- allineamento PhiX 44
- allineamento specifica 47
- amplificazione 20
- AmpliSeq Library PLUS for Illumina 20
- analisi
 - metodi 5, 20
 - non integrata sullo strumento 20
 - stato 7
- analisi basata sul cloud 1
- analisi immagini 5
- analisi in laboratorio 1
- analisi non integrata sullo strumento 20
- arresto corse 47
- assistenza clienti 68
- assistenza tecnica 68
- attraversamento filtri 20
- attraversano i filtri 29, 32
- avvertenze 6, 42, 47
- avvio automatico corsa 28, 31

B

- bagni d'acqua 21
- barra delle applicazioni Windows 11
- barra di stato 3

- barra luminosa 3
- BaseSpace Sequence Hub 1
 - caricamento file 7
 - impostazioni rapide 12
 - requisiti foglio campioni 14
- basi G 44
- basi, codifica dati 43
- BSL-2 56
- BSL-3 56

C

- camici da laboratorio 21
- cartella corsa 16, 34, 41
- cartella output 7, 28, 31, 34, 40
 - accesso 11
 - posizione predefinita 16, 41
- cartella output predefinita 16, 28
- cartuccia
 - bloccata nello strumento 55
 - confezione 21
 - conservazione 7, 47
 - orientamento caricamento 27, 30
 - smaltimento 29, 32, 47
- cartuccia bloccata 55
- cartuccia per il test riutilizzabile 48, 55
- cavo alimentazione 37, 51
- cavo di alimentazione 3, 55
- cavo Ethernet 51, 55
- cella a flusso per il test riutilizzabile 48, 55
- celle a flusso
 - conservazione 7
 - corsie 8
 - numero di cicli 9
 - smaltimento 29, 32
- celle a flusso patterned (preconfigurate) 8
- Chromium
 - apertura 26
 - schermo vuoto 26
- cicli in più 21
- cicli indici 21
- cicli lettura 31
- cicli massimi 21
- cicli minimi 21
- cicli scongelamento/congelamento 21
- cluster
 - filtraggio 44
 - ottimizzazione 20
 - posizioni 40
- codice batch 10

concentrazioni caricamento 20
 concentrazioni iniziali 22
 condizioni conservazione 10
 condizioni di conservazione 7
 confezione 60

- cartuccia 21
- cella a flusso 25
- smaltimento 25
- spedizioni di restituzione 54

 connessioni perse 47
 conservazione

- cartucce scongelate 21
- kit reagenti 7
- librerie diluite 22

 controllo qualità, librerie 22
 conversione file 40
 corrosione, prevenzione 57
 corse

- archiviazione in BaseSpace Sequence Hub 12-13
- conteggio 6, 41
- dimensione delle 15, 34
- modifica parametri 28
- monitoraggio in BaseSpace Sequence Hub 12-13
- verifica stato 6, 29, 32

 corsie, cella a flusso 8
 Custom Protocol Selector 2

D

date di scadenza 36
 date scadenza 10
 dati prestazioni 27, 30
 declassamento del software 52
 denaturazione 20
 denaturazione librerie 20, 22
 denominazione

- fogli campioni 14
- nome computer 6
- nome personalizzato 15
- nome personalizzato strumento 15

 DesignStudio 1
 determinazione delle fasi (phasing) e predeterminazione delle fasi (prephasing) 21
 determinazione fasi (phasing) 43
 diagnostica 48
 diluizione librerie 20
 disco D 34
 disco rigido 6, 34

disconnessione 51
 disimballaggio 54
 diversità basi 44
 documentazione 1, 68
 domini 13
 domini privati 13

E

EEPROM 8
 elaborazione arrestata 46
 elaborazione incompleta 46
 eliminazione corse 6, 34
 errori 6, 42, 47

- messaggi 46
- probabilità 45

 errori verifiche pre-corsa 48
 Ethernet 3, 37
 Ethernet, accensione 17
 etichette 9
 etichette spedizione 60

F

fabbricante 10
 fasi sullo strumento 20
 fattura commerciale 60
 file BCL 6, 40
 file di configurazione 40
 file FASTQ 29, 40
 file filtro 40
 file identificazione basi 20
 file identificazione delle basi 20
 file identificazioni delle basi 40
 file InterOp 40
 file manifest del campione 42
 file registro 42
 filtraggio cluster 44
 filtri dell'aria 54

- posizione 36
- ricambio 18

 finestra di accesso, cartuccia 8
 fluidi, fuoriuscita 50
 fluidica 8
 fogli campioni 27, 29-30, 42

- denominazione 14
- modelli 14, 29

 formammide 29, 32
 formato file TSV 42
 frammenti ricetta 6
 FSE 54

G

garanzia 18
 ghiaccio secco 21
 gruppi di lavoro 27, 30
 gruppo di software 1
 guarnizioni 25
 guida al raggruppamento in pool 44
 guida di Windows 10 17
 guida, tecnica 68

I

icona Help (Aiuto) 26, 29
 icone 6, 10
 identificazione basi 20
 identificazione delle basi 5, 44
 IDT per gli indici TruSeq UD Illumina 44
 illuminatore 8
 imaging 20
 immagini 15, 40, 42-43
 immagini in miniatura (thumbnail) 15
 immagini in miniatura, salvataggio 15
 impostazione
 modifica 12
 impostazione corsa
 opzioni configurazione 12-13
 schermate 26, 29
 impostazione iniziale 36, 52
 impostazioni
 impostazione iniziale 11
 modifica 13
 impostazioni audio 15
 impostazioni configurazione 42
 impostazioni configurazione rapida 12
 impostazioni di fabbrica 52
 impostazioni localizzate 12-13
 indici
 cicli 9
 letture 31
 sequenze adattatori 44
 indirizzi IP 6
 ingrandimento software di controllo 11
 inizializzazione 38, 48, 52
 non riuscita 47
 installazione software 34
 installer System Suite 34
 intensità 43
 interfaccia elettrica 8, 25
 iSeq 100 System Test Kit 18, 48

K

kit 7, 18
 numeri di catalogo 18
 kit per il test 18
 kit preparazione libreria 1
 kit preparazione librerie 20
 kit reagenti 7

L

lavaggi 8
 librerie 1, 8
 concentrazioni iniziali 22
 conservazione 1 nM 22
 denaturazione 20
 librerie di controllo 11
 librerie doppio filamento 22
 limiti di utilizzo, componenti per il test
 riutilizzabili 5, 48
 linee di comando 17
 liquidi, fuoriuscita 50
 Local Run Manager 5
 accesso a distanza 26
 creazione corse 26
 documentazione 1, 28
 download 34
 fogli campioni
 creazione 14
 guide flusso di lavoro 28
 impostazioni rapide 12
 moduli 34
 stato 7
 lunghezze letture 21

M

mancato superamento verifica sistema 48
 materiali di consumo
 confezione 10
 monitoraggio 1, 8
 riutilizzo 28, 31
 scansione 27, 30
 smaltimento 29, 32
 metodi normalizzazione 22
 metriche resa 29, 32
 metriche resa totale prevista 29, 32
 misurazioni chastity 44
 modalità Local Run Manager, informazioni su 26

modalità Manual (Manuale)
 file FASTQ 29, 40
 informazioni su 29
 modelli supportati 54
 modello, foglio campioni 14, 29
 modifica parametri corsa 28
 monitor 3
 monitoraggio a distanza 27, 30
 monitoraggio materiali di consumo 1, 8
 mouse 3, 11

N

nanopozzetti 43
 Nextera DNA Flex 20
 Nextera Flex for Enrichment 20
 NGS 1
 nome corsa 31
 nome personalizzato 15
 nomi computer 6
 nucleotidi 20, 43
 numeri codice 10
 numeri di catalogo 18
 numeri di serie 6, 41
 numeri lotto 10

O

occhiali di sicurezza 21
 opzioni adattatore, Wi-Fi 17
 opzioni analisi dati 12
 opzioni analisi dei dati 13
 orientamenti i5 29
 orientamenti Index 2 (Indice 2) 29
 ottimizzazione concentrazione caricamento 20

P

pagine supporto, website 34
 paired-end 28, 31
 parti riparabili 54
 percentuale presenza 20, 29, 32
 perdita 50
 peso 37
 PF 44
 PhiX 11, 18
 porta Ethernet 51, 55
 porte USB 3, 35
 posizioni host 12-13
 poster impostazione 2, 54

PPE 21
 predeterminazione fasi (prephasing) 43
 preparazione della sede 2, 37, 58
 preparazione sede 16
 presa a muro 51, 55
 prestazioni demultiplex 44
 Process Management (Gestione processo) 29,
 32, 34
 protuberanze 8, 25
 pulizia celle a flusso 48
 pulsante accensione 3, 38, 47
 pulsante accensione/spengimento 38, 47
 pulsante di accensione/spengimento 3
 punteggi qualitativi 20, 29, 32, 45

Q

Q30 29, 32

R

reagenti 7-8
 compatibilità software 9
 conservazione 7
 smaltimento 29, 32, 47
 reagenti iSeq 100 i1 18
 reagenti usati 4, 8
 Registry Editor (Edito registro) 35
 restituzione
 documenti 54
 etichette 60
 scadenze 55
 restituzione dei sistemi 54
 rete
 impostazioni predefinite 16
 linee guida 16
 RFID 2, 8
 riavvio 52
 ricambi 36
 ricette 34
 ricollegamento 52
 rifiuto elettronico 29, 32, 47
 rifornimento 54
 ripresa corse 47
 RunInfo.xml 40

S

saggio
 progettazione 1

- salviettine imbevute di alcol 18
- salviettine imbevute di candeggina 18
- sbsadmin rispetto a sbsuser 11
- scatola accessori 59
- scatola bianca 58
- scheda Customization (Personalizzazione) 11, 15
- scheda dati sicurezza (SDS) 29, 32, 50
- scheda Network Access (Accesso a Internet) 16
- scheda Network Access (Accesso alla rete) 11
- scheda Settings (Impostazioni) 11-12
- schede dati sicurezza 51, 57
- schermo vuoto, Chromium 26
- scomparto materiali di consumo 3
- SDS 51, 57
- selezione dati 55
- sensore ottico 8
- sensori 47
- sensori CMOS 8, 25, 41
- Sequencing Analysis Viewer 40
- sequenze adattatori 14, 29
- sequenziamento
 - cicli 9
 - flusso di lavoro 1
 - letture 9
- sequenziamento a singolo colorante 43-44
- sequenziamento a un colorante 20
- serbatoio libreria 25
- sicurezza e conformità 2
- silenziamento 15
- sistema operativo 38, 48, 52
- software
 - allerte aggiornamenti 35
 - compatibilità reagenti 9
 - declassamento 52
 - impostazioni aggiornamenti 15-16
 - installazione 34
- software di conversione bcl2fastq 40
- Software Suite 5
- soglie qualità 44
- sostanze chimiche pericolose 10, 29, 32
- sostituto RSB 22
- sostituzione RSB 18
- sotto sistemi 48
- spazio su disco 6, 34
- specifiche congelatore 19
- specifiche frigorifero 19
- spedizioni internazionali 60
- spegnimento 38, 47, 51, 55
- spegnimento e accensione 17, 28, 31, 46
- spegnimento e riaccensione 46
- sportelli
 - apertura manuale 56

- chiusura 27, 30
- design 4
- spostamento 3, 37
- strumento
 - installazione 54
 - peso 37
- superamento verifica sistema 48
- supporto proattivo Illumina 12-13
- System Settings (Impostazioni di sistema) 11, 15

T

- tabelle qualità 45
- tampone di risospensione 18, 22
- tappetini 18, 51, 57
- tastiere 3, 11
- terminazione corse 47
- tile 40
- tipi di account 11
- tipi lettura 31
- tipi letture 21
- TruSeq DNA Nano 20
- TruSeq DNA PCR-Free 20

U

- unidirezionale 28, 31
- unità C 16, 52
- unità D 6, 16, 55
- unità esterne 16
- unità interne 16
- Universal Copy Service 5, 7, 16, 34
- UPS 60
- utilizzo di candeggina 56

V

- vassoio 4
- vassoio cartuccia 4
- vassoio raccogliocce 50
 - posizione 51, 57
 - sportello 51, 57
 - tappetini 18, 54
- ventole 36
- verifica flusso 28, 31
- verifica strumento 28, 31
- verifiche sistema 46, 50, 52
 - durata 48
 - risultati 48
- versioni software 9

W

Wi-Fi, accensione 17

Windows

accesso 38, 48, 52

account 11

impostazioni 17

Assistenza Tecnica

Per ricevere assistenza tecnica, contattare l'Assistenza Tecnica Illumina.

Sito Web: www.illumina.com
E-mail: techsupport@illumina.com

Numeri di telefono dell'Assistenza clienti Illumina

Area geografica	Gratuito	Regionale
Nord America	+1.800.809.4566	
Australia	+1.800.775.688	
Austria	+43 800006249	+43 19286540
Belgio	+32 80077160	+32 34002973
Cina	400-066-5835	
Corea del Sud	+82 80 234 5300	
Danimarca	+45 80820183	+45 89871156
Finlandia	+358 800918363	+358 974790110
Francia	+33 805102193	+33 170770446
Germania	+49 8001014940	+49 8938035677
Giappone	0800.111.5011	
Hong Kong, Cina	800960230	
Irlanda	+353 1800936608	+353 016950506
Italia	+39 800985513	+39 236003759
Norvegia	+47 800 16836	+47 21939693
Nuova Zelanda	0800.451.650	
Paesi Bassi	+31 8000222493	+31 207132960
Regno Unito	+44 8000126019	+44 2073057197
Singapore	1.800.579.2745	
Spagna	+34 911899417	+34 800300143
Svezia	+46 850619671	+46 200883979
Svizzera	+41 565800000	+41 800200442
Taiwan, Cina	00806651752	
Altri paesi	+44.1799.534000	

Schede dei dati di sicurezza (Safety Data Sheet, SDS): sono disponibili sul sito Web Illumina all'indirizzo support.illumina.com/sds.html.

Documentazione sul prodotto: disponibile per il download all'indirizzo support.illumina.com.



Illumina

5200 Illumina Way

San Diego, California 92122 U.S.A.

+1.800.809.ILMN (4566)

+1.858.202.4566 (fuori dal Nord America)

techsupport@illumina.com

www.illumina.com

Solo a uso di ricerca. Non usare in procedimenti diagnostici.

© 2020 Illumina, Inc. Tutti i diritti riservati.

illumina®